



สำนักหอสมุด

รายงานการวิจัยฉบับสมบูรณ์

การพัฒนาระบบ Flagella type III secretion system ของเชื้อ *Salmonella Typhimurium* เพื่อใช้ในการสร้างโปรตีนลูกผสมให้หลังออกมานอกเซลล์

Development of flagella type III secretion system from *Salmonella Typhimurium* for recombinant protein through extracellular secretion system

ผู้วิจัย

ดร.เริงวิทย์ บุญโยม

ภาควิชาเทคนิคการแพทย์ คณะสหเวชศาสตร์
มหาวิทยาลัยนเรศวร

สำนักหอสมุด มหาวิทยาลัยนเรศวร
วันลงทะเบียน 14 มิ.ย. 2565
เลขทะเบียน 1052776
เลขเรียกหนังสือ 8 GR
201
§25
17985
2563

สนับสนุนโดย เงินรายได้ มหาวิทยาลัยนเรศวร

หัวข้อวิจัย การพัฒนาระบบ Flagella type III secretion system ของเชื้อ *Salmonella Typhimurium* เพื่อใช้ในการสร้างโปรตีนลูกผสมให้หล่อ柢อกมานอกเซลล์

ชื่อผู้วิจัย ดร.เริงวิทย์ บุญโยม

หน่วยงาน ภาควิชาเทคนิคการแพทย์ คณะสหเวชศาสตร์ มหาวิทยาลัยนเรศวร

ปีงบประมาณ 2559

การสร้างโปรตีนลูกผสม (recombinant protein) มักนิยมใช้ *Escherichia coli* เป็นเซลล์เจ้าบ้าน ซึ่งเป็นระบบแรกที่ใช้ในการสร้างโปรตีนลูกผสมชนิดต่างๆ อย่างไรก็ตาม การสร้างโปรตีนจาก *Escherichia coli* มักพบว่า ได้ผลผลิตโปรตีนลูกผสมที่ไม่สมบูรณ์ และยังมีโอกาสที่โปรตีนบางชนิดจะรวมตัวกันทำให้เกิดการตกตะกอนภายในเซลล์ หรือที่เรียกว่า inclusion bodies ด้วยเหตุผลเหล่านี้ การศึกษาก่อนหน้าจึงมีความสนใจที่จะพัฒนาระบบสำหรับการสร้างโปรตีนลูกผสมแบบให้หล่อ柢อกมานอกเซลล์ (extracellular) สู่อาหารเลี้ยงเชื้อ ในงานวิจัยนี้ คณะผู้วิจัยได้ใช้ *Salmonella Typhimurium* เป็นเซลล์เจ้าบ้านสำหรับการสร้างโปรตีนลูกผสมให้หล่อ柢อกมาสู่อาหารเลี้ยงภายนอกเซลล์ผ่านทาง Type III secretion system (T3SS) ซึ่งระบบนี้ มีความจำเป็นในการสร้าง flagellar และใช้ขนส่งโปรตีนของแบคทีเรียเข้าสู่เซลล์เจ้าบ้าน โดยทางคณะผู้วิจัยได้ทำการเข้ามายิน *lipL41* ที่สามารถแสดงออกเป็นโปรตีน LipL41 ของเชื้อ *Leptospira spp.* โดยต่อ เข้าทางด้านหลังยีน GST ที่อยู่บนพลาสมิด pBNFRB โดยพลาสมิดนี้ประกอบด้วยยีนที่แสดงออกเป็น Flagellin (FluC) ที่มีส่วนของ secretion signal อยู่ตรงตำแหน่งกรดอะมิโนที่ 26-47 ทางด้าน N-terminal และยีน Glutathione S-transferase โดยผลการทดลองแสดงให้เห็นว่า โปรตีนลูกผสม LipL41 ไม่สามารถหล่อ柢อกสู่อาหารเลี้ยงเชื้อโดย *S. Typhimurium* ได้ ทางคณะผู้วิจัยได้สันนิษฐานว่า โปรตีนนี้อาจรวมตัวกันเกิดเป็น inclusion bodies ภายในเซลล์ของแบคทีเรียทำให้เกิดการขัดขวางการหล่อ柢อกโปรตีนผ่านทาง T3SS คณะผู้วิจัยมีความเห็นว่า ความมีการศึกษาเพื่อพัฒนาการสร้างโปรตีนลูกผสม LipL41 ด้วย T3SS ต่อไป

คำสำคัญ : โปรตีนลูกผสม ระบบการหล่อ柢อกโปรตีนชนิดที่ 3 *Salmonella Typhimurium*

Title: Development of flagella type III secretion system from *Salmonella Typhimurium* for recombinant protein through extracellular secretion system

Researcher: Rerngwit Boonyom, Ph.D.

ABSTRACT

Escherichia coli (*E. coli*) is a workhorse for expressing recombinant protein. This microorganism is often first system for heterologous protein production. However, protein produced from *E. coli* showed incomplete recombinant peptide and some proteins could aggregate into insoluble intracellular complexes as inclusion bodies. Therefore, the previous studies were aimed to develop a novel system for extracellular protein production. In this study, we used *Salmonella Typhimurium* as a host for secreting recombinant protein into culture media via Type III secretion system (T3SS). This system is necessary for flagellar assembly and transporting bacterial protein into host cell. Gene encoded Leptospiral LipL41 protein was ligated with recombinant plasmid, pBNFRB downstream GST gene. This plasmid contains gene encoded for secretion signal of flagellin, residue 26 to 47 and glutathione S-transferase gene. The results of this study showed that LipL41 recombinant protein cannot be secreted into culture media by *S. Typhimurium*. We assume that this protein form inclusion bodies inside bacterial cell resulting inhibition for T3SS. Further study is required for developing of LipL41 recombinant protein production with T3SS.

Key words : recombinant protein, Type III secretion system, *Salmonella Typhimurium*

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	ก
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	ช
สารบัญ.....	ค
สารบัญตาราง.....	ง
สารบัญภาพ.....	ง
บทที่ 1 บทนำ	
1.1 ความเป็นมาและความสำคัญของปัญหา	1
1.2 วัตถุประสงค์ของการวิจัย	2
1.3 ขอบเขตของการวิจัย	2
บทที่ 2 วรรณกรรมและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง	3
บทที่ 3 ระเบียบวิธีการวิจัย	
1 รูปแบบการวิจัย	13
2. สายพันธุ์เบคที่เรียกที่ใช้ในการวิจัย	13
3. พลasmid และ Primers	13
4. เครื่องมือในการวิจัย	14
5. วิธีการทดลอง	15
บทที่ 4 ผลการวิจัย	
ผลการวิจัย	22
บทที่ 5 สรุป อภิปรายผล และข้อเสนอแนะ	30
ข้อเสนอแนะสำหรับการวิจัยครั้งต่อไป	34
บรรณานุกรม	35



สารบัญตาราง

ตารางที่ 1 : แสดงรายละเอียดไฟรเมอร์	หน้า 14
ตารางที่ 2 : แสดงอุณหภูมิที่ชั่นปฏิกิริยา PCR	หน้า 16

สารบัญภาพ

ภาพ	หน้า
1 แสดงลักษณะของเชื้อ <i>Leptospira</i> spp. โดยใช้กล้อง transmission electron microscopy (TEM)	4
2 ลักษณะของแฟลกเจลคลาแบบ peritrichous flagellar ของเชื้อ <i>Salmonella</i> spp. โดยใช้กล้อง transmission electron microscopy (TEM) กำลังขยาย 13,250 เท่า	6
3 โครงสร้างหลังของแฟลกเจลคลาและองค์ประกอบอื่นๆ	7
4 ขั้นตอนการสร้างแฟลกเจลคลาของแบคทีเรีย	9
5 โครงสร้างของ Flagellar type III secretion system	10
6 กระบวนการส่งโปรตีนผ่านทาง Flagella type III secretion system	11
7 การเปรียบเทียบกรดอะมิโนทางด้าน N-terminal ของ FliC จากแบคทีเรียสายพันธุ์ต่างๆ โดยในແບນສຳຄັກອາດະນິໂນທີ່ເປັນ export signal ຂອງ FliC ທີ່ຈຶ່ງອູ່ຕຽມການຮັດອາດະນິນທີ່ແຫ່ງທີ່ 26-47 ໃນ <i>S. Typhimurium</i>	12
8 ส่วนประกอบพื้นฐานของพลาสมิด pBNFRB ທີ່ໃຊ້ໃນการวิจัย	13
9 ขั้นตอนการ digestion ໂດຍໃຊ້ເອົ້າເຊີ່ມ <i>Bam</i> H _I ແລະ <i>Eco</i> R _I ຈາກນັ້ນทำการເຂື້ອຍໆ <i>lipL41</i> ເຂົ້າ ກັບພลาສມິດ pBNFRB ຈຳໄດ້ພลาສມິດ pMCRB41	17
10 ส่วนประกอบพื้นฐานของพลาສມິດ pMCRB41 ທີ່ໄດ້ຈາກການເຂື້ອມເຂົ້າສ່ວນ <i>lipL41</i> ເຂົ້າກັບພลาສມິດ pBNFRB	17
11 ขนาดເຂົ້າສ່ວນ <i>lipL41</i> ທີ່ທຳການເພີ່ມຈຳນວນຈາກ Genomic DNA ຂອງเชื้อ <i>Leptospira</i> spp. ດ້ວຍເຕັກນິກ PCR ແລະ ຕຽບສອບໂດຍ agarose gel electrophoresis ທີ່ຍົ້ມດ້ວຍ Ethidium bromide ແລ້ວດູກາຍໃຕ້ແສງ Ultraviolet	22
12 PCR product ຈາກການທຳ Colony PCR ແລະ ຕຽບສອບດ້ວຍ agarose gel electrophoresis ທີ່ຍົ້ມດ້ວຍ Ethidium bromide ແລ້ວດູກາຍໃຕ້ແສງ Ultraviolet	23
14 แสดงการสร้างโปรตีນ FliC-GST-LipL41-6xHis tag ໃນເຂົ້າ <i>E. coli</i> ເນື້ອນນາທຳ Western blot ກັບ Anti-His	25
15 แสดง การสร้างโปรตีນ FliC-GST-LipL41-6xHis tag ໃນເຂົ້າ <i>S. Typhimurium</i> ໂດຍການກະຕຸນການຮັດອາດະນິນຕ້ວຍ IPTG ໃນຮະຍະເວລາທ່າງໆ ແລະ ຕຽບສອບໂປຣຕິນໂດຍເຕັກນິກ Western blot ໂດຍໃຊ້ Anti-His	26
16 แสดง การຮັດອາດະນິນ FliC-GST-LipL41-6xHis tag ໃນເຂົ້າ <i>S. Typhimurium</i> ໄທ້ລັ້ງອອກມາໃນອາຫາດເລື່ອງເຂົ້າ ແລະ ຕຽບສອບໂປຣຕິນໂດຍເຕັກນິກ Western blot ໂດຍໃຊ້ Anti-His	27
17 แสดงການຕຽບສອບການແຕກຂອງເຊັລັດໃນການຮັດອາດະນິນຂອງ <i>S. Typhimurium</i> ດ້ວຍເຕັກນິກ Western blot ໂດຍໃຊ້ Anti-DnaK	28
18 แสดงການຕຽບສອບ soluble protein ແລະ insoluble protein ໃນການຮັດອາດະນິນຂອງ <i>S. Typhimurium</i> ດ້ວຍເຕັກນິກ Western blot ໂດຍໃຊ້ Anti-His	29

บทที่ 1

บทนำ

1.1 ความเป็นมาและความสำคัญของปัญหา

การสร้างโปรตีนลูกผสม (recombinant protein) เกิดจากการนำขึ้นส่วนพันธุกรรมที่สนใจมาตัดต่อ ตัดแปลงเข้าด้วยกันกับเวคเตอร์ และกระตุ้นให้เกิดการแสดงออกเป็นโปรตีนในเซลล์เจ้าบ้าน ซึ่งโปรตีนลูกผสม นี้ได้ถูกนำมาใช้ในการวินิจฉัย รักษาและงานวิจัยด้านต่างๆ โดยส่วนใหญ่เซลล์เจ้าบ้านที่นิยมใช้คือ *Escherichia coli* (1) ซึ่งทราบลำดับพันธุกรรมครบถ้วนสมบูรณ์ สามารถใช้ประโยชน์ได้หลากหลาย และในปัจจุบันถือว่าเป็นเซลล์เจ้าบ้านที่นิยมใช้ในการแสดงออกและสร้างโปรตีนลูกผสม แต่เนื่องจากการสร้างโปรตีน ไว้ภายในเซลล์ (intracellular) ที่ต้องใช้วิธีทำให้เซลล์แตกเพื่อให้ได้โปรตีนลูกสมอกมานั้น ทำให้ได้ผลผลิต โปรตีนลูกสมที่ไม่สมบูรณ์ และยังมีโอกาสที่โปรตีนบางชนิดจะรวมตัวกันทำให้เกิดการตกตะกอนภายในเซลล์ หรือที่เรียกว่า inclusion bodies จึงมีการพัฒนาการสร้างโปรตีนลูกสมแบบให้หลังออกมานอกเซลล์ (extracellular) (2)

การสร้างโปรตีนลูกสมแบบให้หลังออกมานอกเซลล์ เป็นการสร้างโปรตีนในแบคทีเรียที่ใช้เป็นเซลล์เจ้าบ้าน ให้หลังโปรตีนที่สนใจออกมานอกเซลล์สู่อาหารเลี้ยงเชื้อ ซึ่งการสร้างโปรตีนในลักษณะนี้สามารถทำได้ในแบคทีเรียแกรมลบ เช่น *Escherichia coli* และ *Salmonella Typhimurium* เป็นต้น (3) ซึ่งใน *S. Typhimurium* เป็นแบคทีเรียที่มีระบบการขับส่งโปรตีนออกสู่ภายนอกเซลล์ผ่านทาง Type III secretion system (T3SS) เพื่อสร้างเป็นแฟลกเจลลา หรือเพื่อขับส่งโปรตีนก่อโรคเข้าสู่เซลล์เจ้าบ้าน ซึ่ง T3SS เป็นระบบการขับส่งโปรตีนที่สังเคราะห์ขึ้นภายในเซลล์ออกสู่ภายนอกเซลล์ เพื่อใช้ในการสร้างแฟลกเจลลา (4) โดยอาศัยพลังงานจาก proton motive force (PMF) (5) ใน การขับส่งโปรตีนที่เป็นองค์ประกอบของแฟลกเจลลา

Flagellin (FlIC) เป็นโปรตีนโครงสร้างหลักของฟิลามเอนต์ที่สังเคราะห์ขึ้นภายในเซลล์และหลังออกนอกเซลล์ผ่านทางระบบ T3SS โดยมีตำแหน่งกรดอะมิโนที่ 26-47 ทางด้าน N-terminal เป็น export signal ที่สำคัญในการขับส่งโปรตีนออกนอกเซลล์ (6) ทางคณะผู้วิจัยจึงมีความสนใจที่จะนำ FlIC มาสร้างเป็นโปรตีนลูกสม

LipL41 เป็น lipoprotein ที่เป็นองค์ประกอบหลักของผนังชั้นนอก (outer membrane) ของ *Leptospira spp.* ที่มีการแสดงออกมากและเป็นแอนติเจนที่ใช้ในการวินิจฉัยทางชีววิทยา (7) แต่เนื่องจาก การสร้างโปรตีนลูกสม LipL41 แบบสร้างไว้ภายในเซลล์ (Intracellular) โดยใช้ *E. coli* นั้นทำให้เกิด inclusion bodies ภายในเซลล์ และส่งผลให้การสกัดเพื่อให้ได้โปรตีน LipL41 ที่บริสุทธิ์นั้นทำได้ยาก (8)

ดังที่กล่าวมา ทางคณะผู้วิจัยจึงได้พัฒนาเทคนิคการสร้างโปรตีนลูกสม LipL41 ให้มีการขับส่งโปรตีนลูกสมออกสู่นอกเซลล์แทนวิธีการทำให้เซลล์แตก โดยอาศัยพลาสมิด pBNFRB ที่มีส่วนประกอบของ Glutathione S-Transferase (GST) และ FlIC ที่มีกรดอะมิโนตำแหน่ง 14-133 ซึ่งครอบคลุมส่วน export signal (ตำแหน่ง 26-47) โดยทำการตัดต่อชิ้นส่วนของยีน LipL41 ที่ด้านหลังของยีนที่สร้าง GST จากนั้นนำเข้าสู่ *S. Typhimurium* และตรวจสอบการหลังโปรตีนออกมานอกอาหารเลี้ยงเชื้อ

1.2 วัตถุประสงค์ของการวิจัย

เพื่อสร้างโปรตีนลูกผสม LipL41 ให้หลังออกมานอกเซลล์ผ่านทางระบบ flagellar type III secretion system ของเชื้อ *S. Typhimurium*

1.3 ขอบเขตของการวิจัย

ทำการสร้างพลาสมิดที่มีชิ้นส่วนยืน *lipL41* โดยนำมาตัดต่อเข้ากับพลาสมิด pBNFRB เพื่อให้สามารถหลังออกมานอกเซลล์ได้โดยอาศัยโปรตีน FliC ซึ่งมีลำดับของกรดอะมิโนที่ครอบคลุมส่วนที่เป็น export signal ในการขักนำ GST-LipL41-6xHis ให้หลังออกมานอกเซลล์ และทำการทดสอบการหลังของโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis ที่ออกมานในอาหารเลี้ยงเชื้อผ่านทางระบบ fT3SS ของเชื้อ *S. Typhimurium*



บทที่ 2

วรรณกรรมและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

1. Leptospirosis

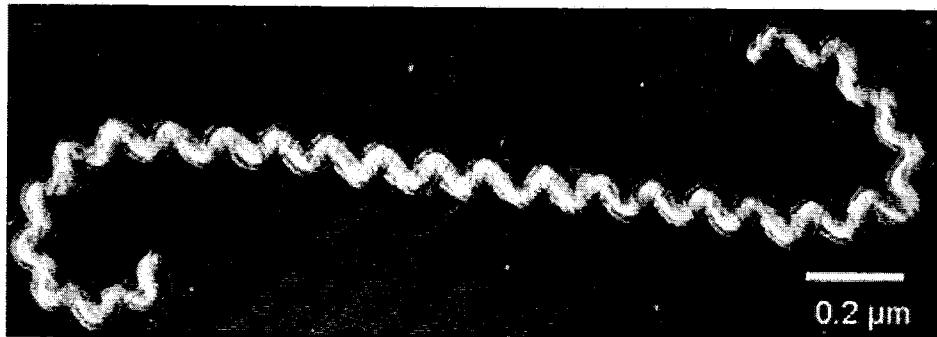
Leptospirosis เป็นโรคติดต่อที่ติดจากสัตว์สู่คนโดยสาเหตุของการเกิดโรคเกิดจากเชื้อ *Leptospira* spp. ซึ่งเป็นเชื้อที่มีความรุนแรงและสามารถเกิดได้ทั่วโลก โดยการแพร่กระจายของโรคเกี่ยวข้องกับวงจรชีวิต ของเชื้อ *Leptospira* spp. โดยมีสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนมเป็นพาหะ (9) โดยเฉพาะอย่างยิ่ง หนูและสัตว์ฟันแทะ ชนิดอื่นๆ จัดเป็นแหล่งพาหะน้ำเชื้อที่มีความสำคัญมากที่สุดสาหรับการติดเชื้อในมนุษย์ โดยหากสัตว์มีการติด เชื้อจะไม่มีอาการแสดงแต่จะหลบเชื้อโรคออกทางปัสสาวะไปตลอดชีวิต สัตว์อื่นๆ อย่างเช่น สุนัข ที่ได้รับวัคซีนป้องกันเชื้อ *Leptospira* spp. สามารถหลบเชื้อโรคออกทางปัสสาวะได้เช่นกัน จึงเป็นผลให้เกิดการติดต่อสู่มนุษย์ได้ ซึ่งการติดต่อสู่มนุษย์สามารถติดต่อได้ทางดินหรือน้ำที่ปนเปื้อนเชื้อ เนื้อเยื่อที่ติดเชื้อ หรือโคนหนู กัดโดยตรง ดังนั้น ชาวนา คนงานชาวท่อระบายน้ำ คนงานเหมืองแร่ ชาวประมง และอาชีพที่เกี่ยวกับปศุสัตว์แบบตั้งเดิม จัดเป็นกลุ่มอาชีพที่มีความเสี่ยงต่อการติดเชื้อมากที่สุด โดยอาการของโรคมีหนูจะแสดงภายใน 1 วัน หรือ 4 สัปดาห์หลังจากได้รับเชื้อ

การเปลี่ยนแปลงรูปแบบการปฏิสัมพันธ์ของมนุษย์กับสภาพแวดล้อมในปัจจุบัน ทำให้เพิ่มเส้นทางการสัมผัสและการติดเชื้อตามมา และในหลาย ๆ ประเทศที่พัฒนาที่มีกิจกรรมพักผ่อนนอกบ้านก็มีโอกาสที่จะติดเชื้อได้ ซึ่งการสัมผัสเกิดได้จากการติดต่อสัมภาระ เช่น การลุยน้ำ ว่ายน้ำ และการล่องแพ โดยเฉพาะในหมู่ของนักเดินทางที่ต้องเที่ยวผจญภัย และกิจกรรมเกี่ยวข้องกับน้ำในประเทศไทยท่องถิน (10)

โดยเชื้อจะเข้าไปแพร่กระจายอยู่ภายในตัวของหนูจากนั้นจะปล่อยเชื้อระยะติดต่อออกมาในปัสสาวะของหนู โดยจะติดเชื้อได้จากการสัมผัสกับน้ำที่ปนเปื้อนเชื้อ เชื้อจะเข้าทางผิวน้ำ หรือเยื่อบุทางตา ปาก จมูก แม้ว่าอาการของโรคจะค่อนข้างหลากหลายโดยอาจมีอาการเด่นของวัյรະโดยวัยรະหนึ่งที่ถูกทำลายไปกว่าจะเป็นตี ตับ โดยอาการของโรคในคนอาจแตกต่างกันออกไปขึ้นกับชนิดและปริมาณของเชื้อ อาการที่พบบ่อยได้แก่ ไข้เฉียบพลัน ปวดศีรษะรุนแรง หน้าสัน ปวดกล้ามเนื้อย่างรุนแรง ตาแดง อาจมีไข้ติดต่อกันหลายวัน และมีเยื่อหุ้มสมองอักเสบ โดยโรคนี้มักพบมากโดยเฉพาะในช่วงฤดูร้อนและฤดูใบไม้ร่วง ซึ่งในภูมิภาคเขตร้อนจะพบโรคได้บ่อยในช่วงฤดูฝน การระบาดมักเกิดหลังจากการเกิดน้ำท่วม เชื้อ *Leptospira* spp. มีความสำคัญและก่อโรคในสัตว์จากสัตว์ฟันแทะ สัตว์เลี้ยง และปศุสัตว์ รวมถึงสัตว์เลี้ยง เช่น หมา แมว ฯลฯ โดยมีความรุนแรงของโรคจากระดับน้อยจนถึงเสียชีวิต (9)

1.1 ลักษณะทั่วไปของเชื้อ *Leptospira* spp.

Leptospira spp. เป็นแบคทีเรียที่มีรูปร่างเฉพาะเป็นลักษณะเกลียวยาว จัดอยู่ในวงศ์ Leptospiraceae โดยมีขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ $0.1 \mu\text{m}$ และความยาวประมาณ $6-20 \mu\text{m}$ ดังที่แสดงในภาพที่ 1 รวมถึงเป็นห้อง saprophytic ซึ่งสามารถหลงเหลือไว้เมื่ออุณหภูมิออกเซลล์และก่อให้เกิดโรคชื่อนุ (*Leptospirosis*) ได้ (11)



ภาพที่ 1 แสดงลักษณะของเชื้อ *Leptospira* spp. โดยใช้กล้อง transmission electron microscopy (TEM) (11)

Leptospira จะเจริญเติบโตได้ดีในที่ที่มีออกซิเจน (aerobic spirochetes) โดยมีเยื่อหุ้มเซลล์และผนังเซลล์ ซึ่งล้อมรอบด้วยเยื่อหุ้มเซลล์ขั้นนอกที่มี porin ที่ช่วยในการแลกเปลี่ยนตัวละลาย ระหว่าง periplasmic space กับสิ่งแวดล้อม (10) และมีส่วนประกอบของ Lipopolysaccharides (LPS) ซึ่งเป็นส่วนที่เป็นแอนติเจนหลักของเชื้อ *Leptospira* โดยมีโครงสร้างและการตอบสนองทางภูมิคุ้มกัน นอกจากนี้ยังมีในส่วนของโปรตีนที่เป็น lipoprotein ที่เป็นส่วนประกอบสำคัญของเยื่อหุ้มเซลล์ขั้นนอก เช่น LipL32, LipL21, LipL41 และ OmpL1 (11) *Leptospira* ไม่สามารถสังเคราะห์กรดไขมันได้ และในธรรมชาติจะสืบพันธุ์ได้ในเซลล์เจ้าบ้านที่เป็นสัตว์เท่านั้น ซึ่งเขียนนี้ขอบความอุ่น และสภาพแวดล้อมที่เป็นกลาง หรือเป็นด่างเล็กน้อย สามารถอยู่ในน้ำจืดหรือดินที่ชื้นได้เป็นเวลาหลายเดือน

1.2 LipL41

LipL41 เป็น lipoprotein ที่เป็นส่วนประกอบหลักของผนังขั้นนอกของเชื้อ *Leptospira interrogans* (12) โดย LipL41 เป็นส่วนที่มีการอนุรักษ์สูงในเชื้อ *Leptospira* spp. ที่ทำให้เกิดโรค และเป็นแอนติเจนที่ใช้ในการตรวจทางชีวเคมีวิทยา โดยหน้าที่ของ LipL41 (13) ยังไม่เป็นที่ทราบแน่ชัด แต่ LipL41 ไม่ได้เป็นส่วนที่ทำให้เกิดการอักเสบ และเป็นส่วนที่ไม่ทำให้เกิดโรค *leptospirosis* แบบเฉียบพลัน (14)

ยีน *lipl41* มีลำดับเบสประมาณ 1,068 คู่เบส สร้างโปรตีนที่มีขนาด 355 กรดอะมิโน และมีน้ำหนักประมาณ 36.8 kDa มีส่วนควบคุมการสร้างโปรตีนของยีน คือ ตำแหน่ง -35 (TTGACA) และ -10 (TTAAAT) เป็นส่วนของโปรโมเตอร์ (promoter) และส่วน ribosome binding site (AGGA) ส่วนตำแหน่งที่หน้าที่ควบคุมการหยุดกระบวนการสร้างโปรตีน คือ ส่วน stop codon (TAA) และส่วน invert repeat หน้าที่เป็น rho-independent transcription terminator โดยโปรตีน LipL41 ประกอบด้วย signal peptide ที่เป็นชนิด Leu-Arg-Lys-Cys ซึ่งเป็นโปรตีน transmembrane cytoplasmic membrane (15)

ในปี 2011 งานวิจัยของ Piyanart Chalayon และคณะ (16) ได้ทำการศึกษาการวินิจฉัยโรค *Leptospirosis* ด้วยวิธี ELISA โดยใช้ outer membrane protein LipL21, LipL32, LipL41 และ Loa22

จากเชื้อ *Leptospira interrogans* serovar Copenhageni แล้วดูว่าโปรตีนใดที่มีความสำคัญในการวินิจฉัยมากที่สุด โดยการผลิต outer membrane protein ต่างๆ โดยตัดต่อยีนที่ใช้สร้างโปรตีนเข้าสู่พลาสมิด pRSET จากนั้นนำเข้าสู่ *E. coli* และกระตุนด้วย IPTG 1 mM เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นทำให้เซลล์แตกเพื่อแยกเอาโปรตีนออกมา พบว่าโปรตีน LipL32 และ Loa22 มีความ soluble อยู่ในไซโตพาซึม แต่โปรตีน LipL21 และ LipL41 มีการรวมตัวกันเป็น inclusion bodies จึงทำการละลาย inclusion bodies ด้วย 8 M urea buffer จากนั้นจึงไปทำให้โปรตีนมีความบริสุทธิ์ต่อไป ต่อมาในปี 2013 งานวิจัยของ Ming-Hsing Lin และคณะ (17) ได้ทำการผลิตโปรตีน LipL41 เพื่อใช้ในการทดสอบความสามารถของโปรตีน LipL41 โดยการตัดต่อยีน LipL41 เข้าสู่พลาสมิด pRSET จากนั้นนำเข้าสู่ *E. coli* และบ่มที่อุณหภูมิ 37 °C และกระตุนด้วย IPTG 1 mM เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นทำให้เซลล์แตกเพื่อแยกเอาโปรตีนออกมา แต่พบว่าเกิด inclusion bodies ขนาดใหญ่อยู่ในส่วนที่เป็น soluble ของ *E. coli* จึงได้ทำการแก้ไขโดยการใส่ chaperone และ Lep เข้าไป และนำ plasmid เข้าสู่ *E. coli* เมื่อันเดิมแต่ลดอุณหภูมิการบ่มลงให้เหลือ 20 °C ลดความเข้มข้นของ IPTG ลงเหลือ 0.5 mM และเพิ่มระยะเวลาในการกระตุนเป็น 16 ชั่วโมง พบว่ามีปริมาณโปรตีน LipL41 ที่เป็น soluble เพิ่มมากขึ้นจากเดิมในแบบที่สร้างไว้ภายในเซลล์ ดังนั้นาทางคณะผู้วิจัยจึงได้มีแนวคิดที่จะนำการสร้างโปรตีนลูกผสม LipL41 แบบให้หลังอกมา nokellos โดยอาศัยระบบการขนส่งโปรตีนผ่านทาง type III secretion system

1.3 Vaccine

วัคซีนป้องกันโรค Leptospirosis ที่มีอยู่ในปัจจุบัน เตรียมจากทั้งเซลล์ของแบคทีเรีย โดยนำมาใช้ในการป้องกันการติดเชื้อ *Leptospira* spp. หลายสายพันธุ์ รวมถึง *L. icterohaemorrhagiae*, *L. grippotyphosa* และ *L. Pomona* แต่ในปัจจุบันพบว่าวัคซีนที่เตรียมจากทั้งเซลล์ของแบคทีเรียนี้ ล้มเหลวในการกระตุนภูมิคุ้มกันในระยะยาวที่จะต่อต้านโรค Leptospirosis และยังไม่สามารถป้องกันการติดเชื้อ *Leptospira* ที่มีมากกว่า 250 สายพันธุ์ วัคซีนนี้คือ ป้องกันได้เพียงระยะต่ำๆ หรือสร้างภูมิคุ้มกันในระยะสั้นๆ และไม่ปลอดสารพิษ ไม่มีศักยภาพในการส่งเสริมภูมิคุ้มกัน (18)

2. การสร้างโปรตีนลูกผสม

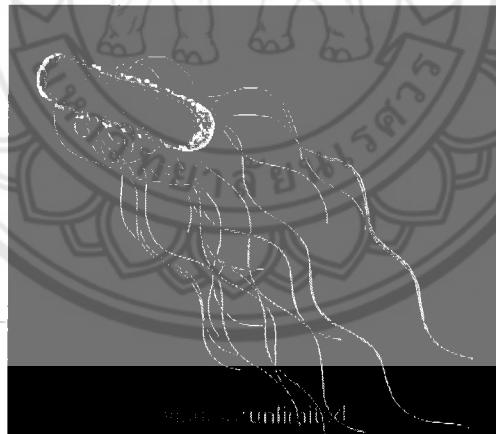
การสร้างโปรตีนลูกผสม เป็นการนำยีนที่สนใจมาตัดต่อด้วยเบล็อกเข้ากับเบคเตอร์ และถ่ายฝากเข้าไปในแบคทีเรียเจ้าบ้าน ซึ่งสายพันธุ์ที่นิยมใช้คือเชื้อ *E. coli* ซึ่งเป็นแบคทีเรียที่ทราบลำดับพันธุกรรมครบถ้วนสมบูรณ์ สามารถใช้ประโยชน์ได้หลากหลาย และนิยมใช้ในการแสดงออกและสร้างโปรตีนลูกผสม เพื่อเพิ่มจำนวนยีนที่สนใจและกระตุนให้เกิดการแสดงออกของโปรตีน โดยมีการสร้างโปรตีนไว้ภายในเซลล์ (Intracellular) จากนั้นจึงทำให้เซลล์แตกด้วยวิธีต่างๆ เช่นการใช้คลื่นเสียง (sonication) หรือการใช้สารละลายต่างในการทำลายผนังเซลล์ของแบคทีเรีย (alkaline lysis) เพื่อให้ได้โปรตีนที่สนใจออกมานะนำไปทำให้บริสุทธิ์ในขั้นตอนต่อไป ซึ่งการทำให้เซลล์แตกนั้น ส่งผลให้การทำให้โปรตีนบริสุทธินั้นทำได้ยาก และซับซ้อน เนื่องจากเกิดการปนเปื้อนจากโปรตีน อ่อนไหวและสารต่างๆ ที่อยู่ภายในเซลล์เจ้าบ้านเอง และมีโอกาสที่โปรตีนบางชนิดจะรวมตัวกันเกิดการตกตะกอนภายในเซลล์ (inclusion bodies) และนอกจากนี้ โปรตีนลูกผสมที่สร้างขึ้นอาจถูกทำลายโดยเอนไซม์ protease ทำให้ได้ผลผลิตไม่สมบูรณ์ (19)

สำหรับการสร้างโปรตีนแบบให้หลังอกมา nokellos (Extracellular) มีระบบการหลังโปรตีนออกนอกเซลล์ 6 ระบบ ซึ่งมีความแตกต่างกันในส่วนของค์ประกอบของระบบ โดยระบบการหลังโปรตีน type V จะประกอบไปด้วย 1 หรือ 2 องค์ประกอบเท่านั้น ในขณะที่ระบบอื่น (type II, III, IV) ประกอบไปด้วยโปรตีน

หลายชนิด และได้เคยมีการนำระบบการหลั่งโปรตีนแบบต่างๆ มาใช้ในการสร้างโปรตีนลูกผสมที่ต้องการจะศึกษาอย่างแพร่หลาย (20) ซึ่งงานวิจัยนี้จะเน้นไปในส่วนของระบบการหลั่งโปรตีน type III (T3SS) โดยอาศัยกลไกการหลั่งโปรตีนออกมานอกเซลล์เพื่อใช้ในการสร้างแฟลกเจลลา นำมาใช้ประโยชน์ในการสร้างโปรตีนลูกผสมแบบให้หลังออกมานอกเซลล์ โดยนำส่วนของ signal sequence (export signal) ซึ่งอยู่ในสายของแฟลกเจลลิน (FLIC) มาตัดต่อเข้ากับโปรตีนที่สนใจ จากนั้นการตุนให้มีการสร้างและหลังออกมานอกเซลล์โดยไม่มีการทำลายเยื่อหุ้มเซลล์ของแบคทีเรียเจ้าบ้าน การสร้างโปรตีนลูกผสมแบบให้หลังออกมานอกเซลล์โดยไม่มีการทำลายเยื่อหุ้มเซลล์ของแบคทีเรียเจ้าบ้าน การสร้างโปรตีนลูกผสมแบบให้หลังออกมานอกเซลล์จึงมีประโยชน์มาก many เนื่องจากเปรียบเทียบกับแบบที่สร้างไว้ภายในเซลล์ และจากที่กล่าวมานี้ การสร้างโปรตีนแบบให้หลังออกมานอกเซลล์จึงสามารถหลีกเลี่ยงไม่ให้มีการปนเปื้อนและถูกทำลายจากโปรตีนภายในเซลล์ lipopolysaccharide กรณีวัคซิโน หรือเอนไซม์ชนิดต่างๆได้ ทำให้โปรตีนที่ได้ออกมานั้นมีความสมบูรณ์มากยิ่งขึ้น สามารถตรวจพบได้ง่าย และทำให้ง่ายต่อการทำบริสุทธิ์ จึงเป็นเหตุผลที่นำการสร้างโปรตีนแบบให้หลังออกมานอกเซลล์ซึ่งมีข้อดีมากกว่าเมื่อเปรียบเทียบกับแบบที่สร้างไว้ภายในเซลล์มาใช้แทน (21)

2.1 ลักษณะทั่วไปของเชื้อ *Salmonella Typhimurium*

Salmonella enterica subsp. *enterica* serovar *Typhimurium* (*S. Typhimurium*) จัดเป็นแบคทีเรียในวงศ์ Enterobacteriaceae มีรูปร่างลักษณะเป็นรูปแท่ง (rod shape) ติดสีแกรมลบ มีขนาดประมาณ $0.7-1.5 \mu\text{m} \times 2-5 \mu\text{m}$ สามารถเจริญเติบโตได้ในที่ที่มีหรือไม่มีอากาศก็ได้ (facultative anaerobe) อุณหภูมิที่เหมาะสมแก่การเจริญเติบโตอยู่ในช่วง 37 องศาเซลเซียส pH 4-8 สามารถเคลื่อนไหวได้โดยอาศัยแฟลกเจลลาที่อยู่รอบตัวเรียกว่า peritrichous flagellar (22) ดังแสดงในภาพที่ 2 *S. Typhimurium* มีความสามารถในการบุกรุกเข้าสู่เซลล์ลำไส้ของร่างกาย เป็นสาเหตุของโรคอาหารเป็นพิษ (Salmonellosis) ทำให้เกิดอาการทางระบบอาหารทั้งในคนและสัตว์ (23)

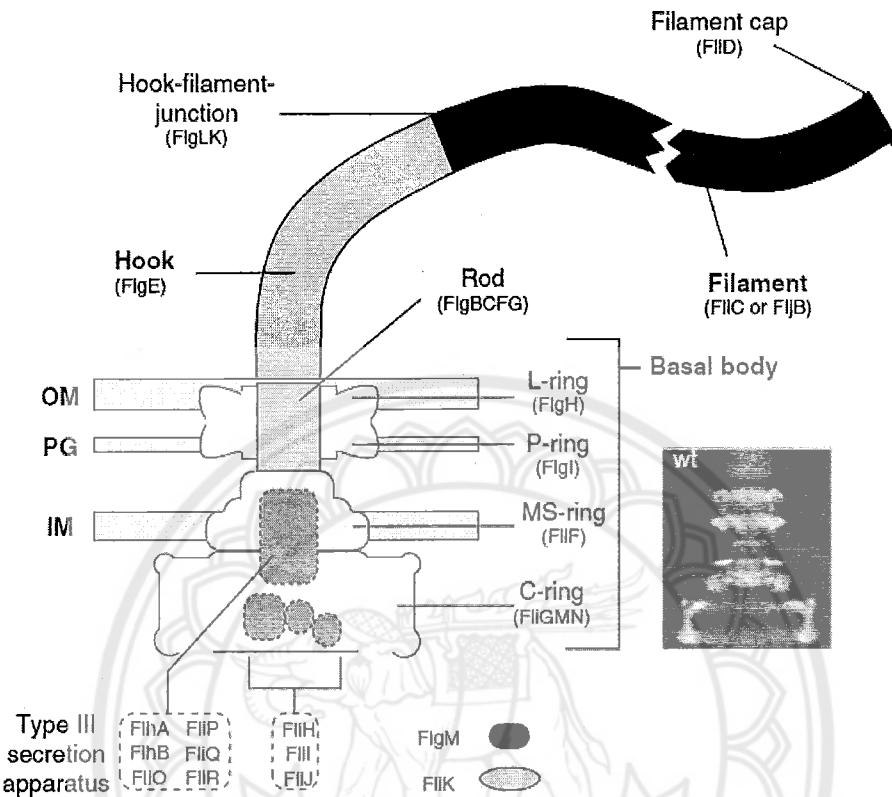


ภาพที่ 2 แสดงลักษณะของแฟลกเจลลาแบบ peritrichous flagellar ของเชื้อ *Salmonella* spp. โดยใช้กล้อง transmission electron microscopy (TEM) กำลังขยาย 13,250 เท่า (24)

2.2 ลักษณะทั่วไปของแฟลกเจลลา

แฟลกเจลลา (flagellar) เป็นโครงสร้างที่ใช้ในการเคลื่อนที่ของแบคทีเรีย มีลักษณะเป็นท่อสีน้ำเงินออกภายนอกเซลล์ประกอบกันด้วยโปรตีนที่แตกต่างกันประมาณ 25 ชนิด (25) โดยโปรตีนที่ใช้ในการสร้าง

แฟลกเจลล่าของเชื้อ *S. Typhimurium* โปรตีนที่เป็นส่วนประกอบจะถูกสังเคราะห์ขึ้นภายในเซลล์และส่งออกมายังนอกเซลล์ผ่านทาง T3SS ซึ่งการเคลื่อนที่ของแบคทีเรียจะเกิดจากการหมุนของแฟลกเจลล่าโดยได้รับแรงหมุนจากมอเตอร์ที่ผนังเซลล์ ส่งผลให้แบคทีเรียสามารถเคลื่อนที่ได้ (26) แฟลกเจลล่าประกอบด้วยโครงสร้างหลัก 3 ส่วนคือ basal body, hook และ filament (27) ดังแสดงในภาพที่ 3



ภาพที่ 3 แสดงโครงสร้างหลังของแฟลกเจลล่าและองค์ประกอบอื่นๆ (28)

2.3 โครงสร้างหลักของแพลกเจลล่า

1) Basal body มีโครงสร้างเป็นลักษณะทรงกระบอกประกอบด้วย MS ring, rod, L ring, P ring และ C ring โดย C ring จะเป็นส่วนมอเตอร์ที่อยู่ในไซโตพลาสซึมติดกับ MS ring โดยมี Mot complexes อยู่ล้อมรอบ MS ring และ C ring และส่วนของ basal body ยังมีส่วนที่สำคัญคือ type III flagellar protein export apparatus หรือ T3SS apparatus ซึ่งเป็นส่วนที่ใช้ในการส่งออกโปรตีนที่เป็นองค์ประกอบของแพลกเจลลา (26)

2) Hook มีลักษณะเป็นเส้นโค้งประกอบด้วยโปรตีน FlgE ประมาณ 120 หน่วย มีความยาวประมาณ 55 นาโนเมตร (28) ทำหน้าที่เหมือนเป็นข้อต่อเชื่อมระหว่างแกนหมุนกับ filament โดย hook มีความยืดหยุ่นสูงกว่า filament จะส่งแรงหมุนจากมอเตอร์ตรงผนังเซลล์ไปยัง filament ทำให้เกิดการหมุนของ filament ทำให้แบคทีเรียมีการเคลื่อนที่ (30)

3) Filament เป็นโครงสร้างที่สำคัญในแฟลกเจลามีลักษณะเป็นท่อเกลียว ทำหน้าที่ในการหมุนและจำเป็นในการเปลี่ยนทิศทางในการเคลื่อนที่ของแบคทีเรีย ซึ่งส่วนนี้มีความยาวกว่าขนาดของแบคทีเรีย โดยมีความยาวประมาณ 15 μm ประกอบด้วยโปรตีนแฟลกเจลลิน (FlC) ประมาณ 30,000

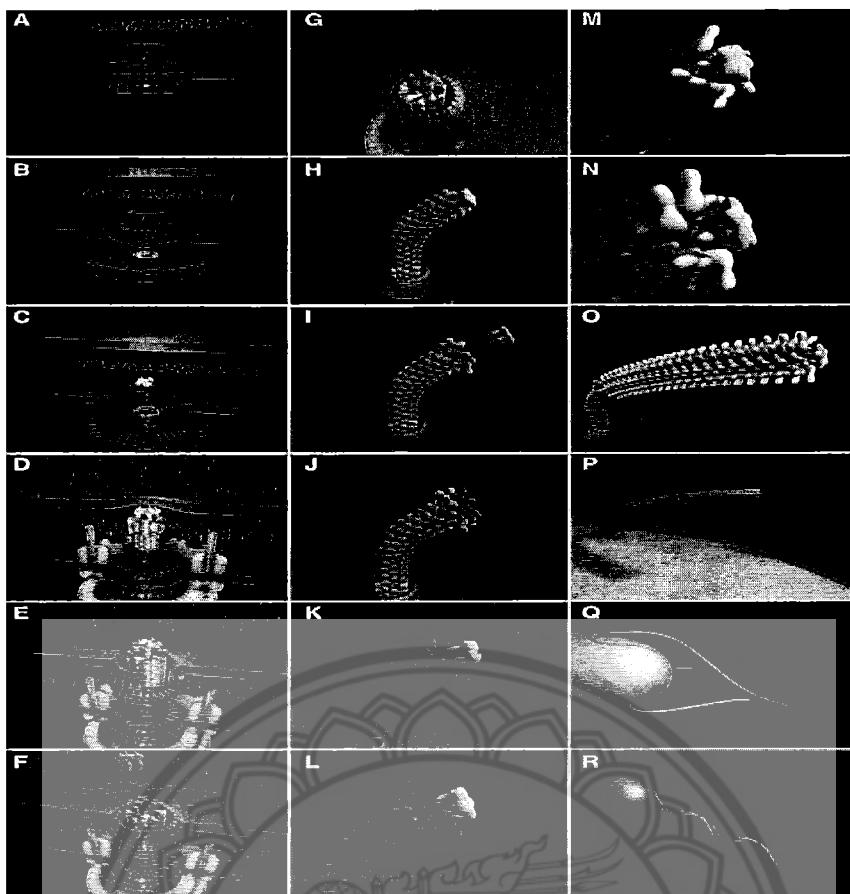
ไม่เลกุลเขื่อมต่อกันเป็นพอลิเมอร์ ซึ่งไม่เลกุลแฟลกเจลินจะถูกส่งผ่านมาภายในช่องแคบที่อยู่ในตำแหน่งใจกลางของแฟลกเจลลา โดยส่งออกมายังทิศทางจากภายในเซลล์ไปสู่ทางด้านส่วนปลายของสายแฟลกเจลลา (31)

2.4 การสร้างแฟลกเจลลา

การสร้างแฟลกเจลามีขั้นตอนการสร้าง ดังแสดงในภาพที่ 4 เริ่มจากการสร้าง MS ring ในผนังชั้นในขึ้นมา ก่อนจากนั้นจะตามด้วยการรวมตัวของ C ring protein ได้แก่ FlIG, FlIM และ FlIN โดยจะรวมตัวกันเป็น C ring อยู่ในไซโตพลาสซึม ซึ่งติดกับส่วนของ MS ring เมื่อมีการสร้าง C ring เสร็จแล้ว mot protein MotA และ MotB จะเข้ามาร่วมตัวกันในผนังชั้นใน โดย MotA และ MotB ประกอบกันเป็น stator complex ซึ่งเป็นโครงสร้างที่เป็นเส้นทางการให้พลังงานของโปรตอน (28) และ MotB ในส่วนของ C-terminal จะเป็นตำแหน่งที่ติดกับชั้นของ peptidoglycan (32)

หลังจากการสร้าง C ring จะมีการรวมตัวกันของโปรตีนที่เป็นส่วนประกอบของ flagellar type III secretion system (FT3SS) ได้แก่ FlhA, FlhB, FlhI, Flil, FlIJ, FlIO, FlIQ และ FlIR ซึ่งจะรวมตัวกันอยู่ที่ basal body ภายใต้ช่องตรงกลางของ MS ring (33) จากนั้น FT3SS จะอาศัยพลังงานจาก proton motive force (PMF) เพื่อใช้ในการขนส่งโปรตีนที่เป็นส่วนประกอบต่างๆ ของ แฟลกเจลลา (34) จากนั้นจะมีการขนส่งส่วนประกอบของ rod ได้แก่ FlIE, FlgB, FlgC, FlgF และ FlgG ผ่านทาง type III secretion apparatus และรวมตัวกันเป็น rod (35) เมื่อสร้าง rod เสร็จจะมีการสร้าง P-ring และ L-ring ภายใต้ผนังชั้นนอกโดยอาศัยโครงสร้างของ rod

หลังจากที่มีการสร้าง rod และ ring ต่างๆ เสร็จแล้ว ต่อมาก็มีการสร้าง hook (FlgE) ซึ่งมีความยาวประมาณ 55 นาโนเมตร โดยความยาวของ hook จะถูกควบคุมโดย FlIK (36) จากนั้นจะมีการสร้าง hook-associated protein ได้แก่ FlgK, FlgL และ FlID (37) และในขั้นตอนสุดท้ายของการสร้างแฟลกเจลลาจะมีการกระตุ้นการหลั่ง anti- O²⁸ factor ซึ่งจะมีผลให้เกิดการแสดงออกของ flagellar gene จากนั้นแฟลกเจลินจะถูกส่งผ่านทาง FT3SS ไปในส่วนปลายของสายแฟลกเจลลา โดยมี cap (FlID) ซึ่งเป็นโครงสร้างรูปร่างหัวเหลี่ยม ประกอบด้วยฐาน 1 ฐานและขา 5 ขา จะช่วยในการจัดเรียง FlIC เพื่อสร้างเป็น filament โดยใน 1 filament จะประกอบไปด้วย flagellin ประมาณ 20,000 – 30,000 subunit (25,26)



ภาพที่ 4 แสดงขั้นตอนการสร้างแฟลกเจลลาของแบคทีเรีย (38)

S. Typhimurium มีระบบการขนส่งโปรตีนแบบที่ 3 ที่เรียกว่า Type III secretion system โดยแบ่งออกเป็น 2 ประเภทคือ

1. Flagellar type III secretion system (fT3SS)

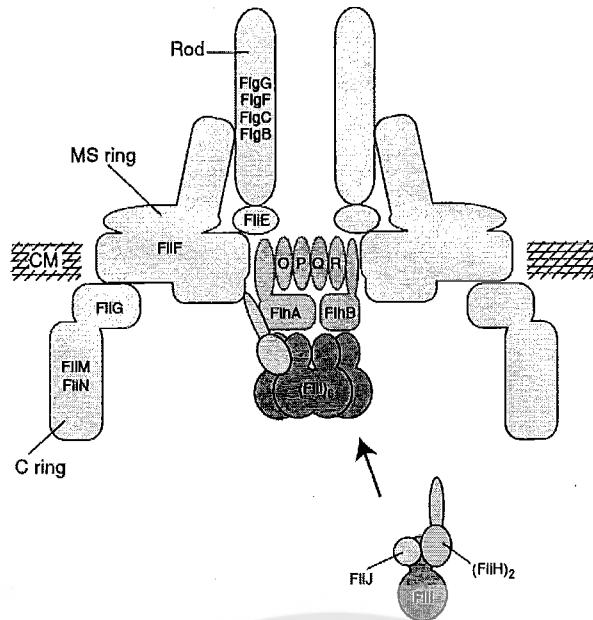
เป็นระบบการขนส่งโปรตีนที่เป็นองค์ประกอบของแฟลกเจลลาออกสูนออกเซลล์ โดยขนส่งผ่านทางช่องของส่วน basal body เพื่อไปสร้างเป็นแฟลกเจลลานอกเซลล์

2. Type III secretion needle complex

เป็นระบบที่ใช้ในการขนส่งโปรตีนก่อโรคบุกรุกเข้าสู่เซลล์เจ้าบ้าน ผ่านทาง needle complex โดยมีรูปร่างคล้ายกับส่วนของ basal body ของแฟลกเจลลา (39)

3. Flagellar type III secretion system (fT3SS)

fT3SS เป็นกลไกที่จำเป็นต่อการขนส่งโปรตีนที่เป็นส่วนประกอบของ rod, hook และ filament เพื่อใช้สร้างเป็นแฟลกเจลลา (4) โดยผ่านทาง fT3SS ซึ่งอยู่ภายใน MS ring ของ basal body โดยความกว้างของช่องที่ผ่านมีขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 2.0 นาโนเมตร (40) fT3SS apparatus ประกอบไปด้วย ชนิดที่จัดเป็น membrane protein 6 ชนิด ได้แก่ FlhA, FlhB, FlhC, FlhD, FlhE และ FlhF และชนิดที่จัดเป็น soluble protein 3 ชนิด ได้แก่ FlhG, FlhH, FlhI (41) ดังที่แสดงในภาพที่ 5

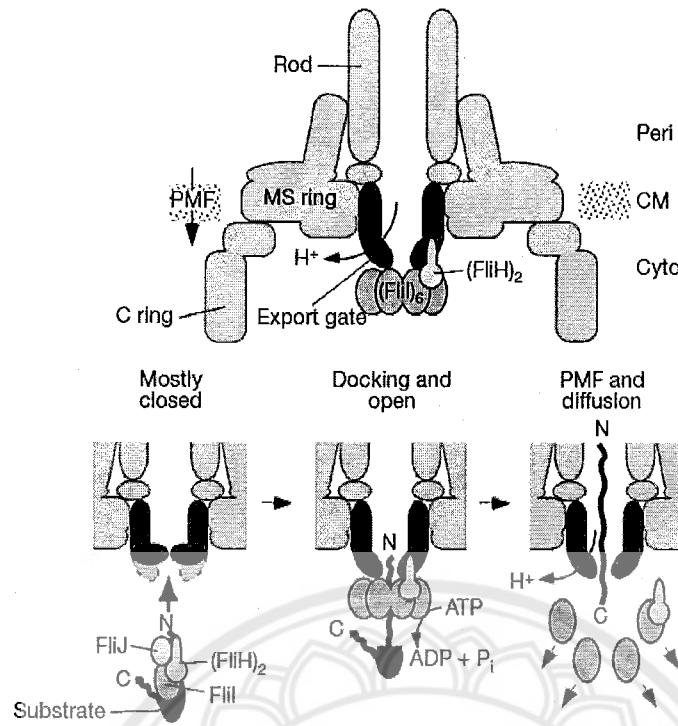


ภาพที่ 5 แสดงโครงสร้างของ Flagellar type III secretion system (4)

Soluble protein (FliH, Flil, Fluj) จะเป็นส่วนที่ช่วยในการขนส่งโปรตีนและเปลี่ยนแปลงรูปร่างของโปรตีนเพื่อส่งออกนอกเซลล์ผ่านทาง export apparatus (31) โดย Flil จะรวมตัวกัน 6 subunit กล้ายเป็นโครงสร้างวงแหวน (42) ทำหน้าที่เป็น ATPase เพื่อใช้ในการสลาย ATP (43)

Membrane protein FliO, FliP, FliQ และ FliR เป็นโครงสร้างโปรตีนขนาดเล็กที่รวมตัวกันอยู่ตรงกลางของ FT3SS apparatus และส่วนของ FihA, FihB จะเป็นส่วนที่มีขนาดใหญ่ โดยมีส่วนที่ยื่นออกไปอยู่ในไซโตพลาสซึม ส่วนนี้จะทำปฏิกิริยากับ FliH, Flil, Fluj (34) นอกจากนั้น FihB ยังทำหน้าที่ในการเปิดปิดช่องที่ใช้ในการส่งออกโปรตีนผ่านทาง FT3SS apparatus อีกด้วย (44)

ในส่วนของการวนการขนส่งโปรตีนผ่านทาง FT3SS ยังไม่เป็นที่ทราบแน่ชัด แต่จากการศึกษาพบว่า FliH-Flil complex จะมีบทบาทในการจับกับโปรตีนที่จะส่งออก จากนั้นนำโปรตีนมาสั่งส่วนของ export apparatus และจะมีการสลาย ATP เพื่อให้ได้พลังงานมากратตุน ทำให้เกิดการแยกของ FliH-Flil complex จากนั้นจะอาศัยพลังงานจาก proton motive force (PMF) ใน การส่งโปรตีนผ่านเยื่อหุ้มเซลล์ออกไปสู่ไซтопลาสซึมผ่านทาง FT3SS (45) ดังที่แสดงในภาพ ที่ 6



ภาพที่ 6 แสดงกระบวนการขนส่งโปรตีนผ่านทาง Flagellar type III secretion system (45)

3.1 Flagellin (FliC)

แฟลกเจลลิน หรือ FliC เป็นโปรตีนโครงสร้างหลักของฟิลาเมนท์ ประกอบไปด้วย 4 domain ได้แก่ D0, D1, D2 และ D3 (46) โดยที่ D0 เป็น domain ที่อยู่ภายในสุด ติดกับส่วนที่เป็นช่องว่าง ของฟิลาเมนท์ ส่วน D3 เป็น domain ที่อยู่นอกสุดที่ผิวของฟิลาเมนท์ ในส่วนของ D0 และ D1 จะประกอบกันอยู่ในรูปของ α -helical ตรงแกนกลางของฟิลาเมนท์ ในส่วนของ D2 และ D3 จะประกอบกันอยู่ในรูปของ β -sheet ตรงผิวด้านนอกของฟิลาเมนท์ (47)

FliC ในเชื้อ *S. Typhimurium* เป็นโปรตีนที่มีขนาด 51 kDa สร้างจากยีน *fliC* ประกอบด้วย 495 กรดอะมิโน โดยส่วนของหัวด้าน N-terminal มี 207 กรดอะมิโน และ C-terminal มี 50 กรดอะมิโน (48) โดยจะถูกขนส่งออกสู่นอกเซลล์ผ่านทาง T3SS โดยมีส่วนของ export signal เป็นส่วนสำคัญในการขนส่ง FliC ออกสู่นอกเซลล์ ใน *S. Typhimurium* ซึ่งพบว่าส่วนของ export signal ดังกล่าวอยู่ตรงกรดอะมิโนตำแหน่งที่ 26-47 หัวด้าน N-terminal ของ FliC ดังแสดงในภาพที่ 7 ซึ่งเป็นส่วนที่มีบทบาทสำคัญในการขนส่งโปรตีน (49)

	10	20	30	40	50	60
Salmonella typhimurium	MAQVINTNSLSLLTQNNLNKSQSALGTAIERLSSGLRINSACKDAAGQAIANRFTANIKG					
Escherichia coli	AQVINTNSLSLITQNNINKNQSALSSSIERLSSGLRINSACKDAAGQAIANRFTSNIKG					
Shigella flexneri	MAQVINTNSLSLITQNNINKNQSALSSSIERLSSGLRINSACKDAAGQAIANRFTSNIKG					
Yersinia pestis	MAVINTNSLSLLTQNNLNKSQSSLGTAIERLSSGLRINSACKDAAGQAIANRFTANIKG					
Xanthomonas axonopodis	MAQVINTNVMSLNAQRNLNTSSASMSTSICRLSSGLRINSACKDAAGLQISNRLSNQISG					
Pseudomonas aeruginosa	MALTVNNTNIASLNTQRNLNASSNDLNTSLQRLTTGYRINSACKDAAGLQISNRNVQSRG					
Bordetella pertussis	MAAVINTNYLSLVAQNNLNKSQSALGTAIERLSSGLRINSACKDAAGQAIANRFTANIKG					
Bacillus cereus	MRINTNINSMRTQEYMRQNQAKMSTAMDRLSSGKRINNASDDAAGLAIATRMRARESG					
Bacillus halodurans	MKINNNIQALNAYRNLYQNQFQTSKNLEKLSSGLRINRAADDAAGLAISEKMRSQIRG					
Shewanella oneidensis	MAITVNTNVTSKLAQKNLNTSASDLATSMERLSSGLRINSACKDAAGLAIISNRNLNSQVRG					
Vibrio vulnificus	MAVNVTNVAAAMTAQRYLNNANSQAQTSMERLSSGFKINSACKDAAGLQISNRNVQSRG					
Burkholderia pseudomallei	MLGINSNINSLVAQQNLNGSQGALSQAITRLSSGKRINSADDAAAGLAIATRMQTOING					
	: * . * : : : . : :					*

ภาพที่ 7 แสดงการเปรียบเทียบกรดอะมิโนทางด้าน N-terminal ของ FlxC จากแบคทีเรียสายพันธุ์ต่างๆ โดยในแบบสีดำคือกรดอะมิโนที่เป็น export signal ของ FlxC ซึ่งอยู่ตรงกรดอะมิโนตำแหน่งที่ 26-47 ใน S. Typhimurium (49)

ในปี 2010 Dobo J และคณะ (50) ได้ทำการนำส่วนของ N-terminal ของโปรตีน FlxC ในขนาดที่ไม่เท่ากัน จากนั้นนำมาตัดต่อ กับโปรตีนชนิดต่างๆ เพื่อที่จะศึกษาว่าในส่วนของ N-terminal ของโปรตีน FlxC จะสามารถชักนำให้มีการส่งออกโปรตีนนิดอื่นได้หรือไม่ และค้นหาตำแหน่งของ N-terminal ของโปรตีน FlxC ที่เหมาะสมต่อการส่งออกโปรตีนออกเซลล์ โดยนำยีนการสร้างโปรตีนต่างๆ ตัดต่อเข้ากับพลาสมิค pGFP แล้วนำเข้าสู่เชื้อ S. Typhimurium จากนั้นกระตุ้นให้มีการสร้างโปรตีนโดยการเติม 0.4 mM IPTG และพบว่า สามารถส่งออกโปรตีนออกมาสู่นอกเซลล์ได้ในบางโปรตีน โดยในส่วนของ N-terminal ในตำแหน่งกรดอะมิโนที่ 26-47 มีการขนส่งโปรตีนออกสู่นอกเซลล์ในปริมาณมาก ต่อมาในปี 2012 งานวิจัยของณัฐพล ทิสยากร, ดาวรัตน์ วันขวา และ นุสรา ศรีแสงอ่อน (51) ได้พัฒนาวิธีการสร้างโปรตีนลูกผสมให้หลังออกนอกเซลล์ผ่านทาง fT3SS ในเชื้อ S. Typhimurium โดยการนำส่วนของยีน flxC ที่มีส่วนของ Export signal มาตัดต่อเข้ากับพลาสมิค pGEX-2T แล้วนำเข้าสู่เชื้อ S. Typhimurium จากนั้นกระตุ้นด้วย IPTG 1 mM เป็นเวลา 2 ชั่วโมง และตรวจดูโปรตีนที่สร้างขึ้นด้วยวิธี Western blot ในอาหารเลี้ยงเชื้อ พบว่ามีโปรตีน FlxC-GST อยู่ในอาหารเลี้ยงเชื้อ

ดังเช่นที่กล่าวมาทั้งหมดนี้ จึงมีความเป็นไปได้ที่จะสามารถนำพัฒนาวิธีการสร้างโปรตีนลูกผสม LipL41 ให้หลังออกนอกเซลล์ได้ เนื่องจากในส่วนของกรดอะมิโนที่เป็นส่วนของ Export signal ของโปรตีน FlxC ซึ่งจะถูกจัดลำดับในส่วนของ T3S apparatus ทำให้มีการชักนำและส่งโปรตีนออกเป็นนอกเซลล์ เพื่อใช้ในการสร้างแฟลกเจลลาโดยไม่ต้องทำให้เซลล์แตก จึงได้นำส่วนของ lipL41 มาเชื่อมต่อเข้ากับด้านหลังของ GST ที่เชื่อมด้านหน้าด้วย flxC ในพลาสมิค pBNFRB เพื่อสังเกตการณ์ชักนำของ FlxC ว่าจะสามารถชักนำโปรตีน LipL41 ออกนอกเซลล์ โดยผ่านทางแฟลกเจลลาของเชื้อ S. Typhimurium ซึ่งหากสามารถทำได้ จะนำไปใช้ประโยชน์ในการสร้างโปรตีนลูกผสม LipL41 โดยให้หลังออกนอกเซลล์ และนำไปทำให้โปรตีนบริสุทธิ์โดยการใช้คอลัมน์ที่มี Glutathione และตัดด้วย Thrombin เพื่อให้ได้โปรตีน LipL41 บริสุทธิ์ ออกมายังไประยะหนึ่งทางด้านซีรั่มวิทยา หรือนำวิธีการสร้างโปรตีนให้หลังออกนอกเซลล์นี้ ไปประยุกต์ใช้ในการสร้างโปรตีนชนิดอื่น

บทที่ 3 ระเบียบวิธีการวิจัย

1. รูปแบบการวิจัย

รูปแบบการวิจัยและพัฒนา

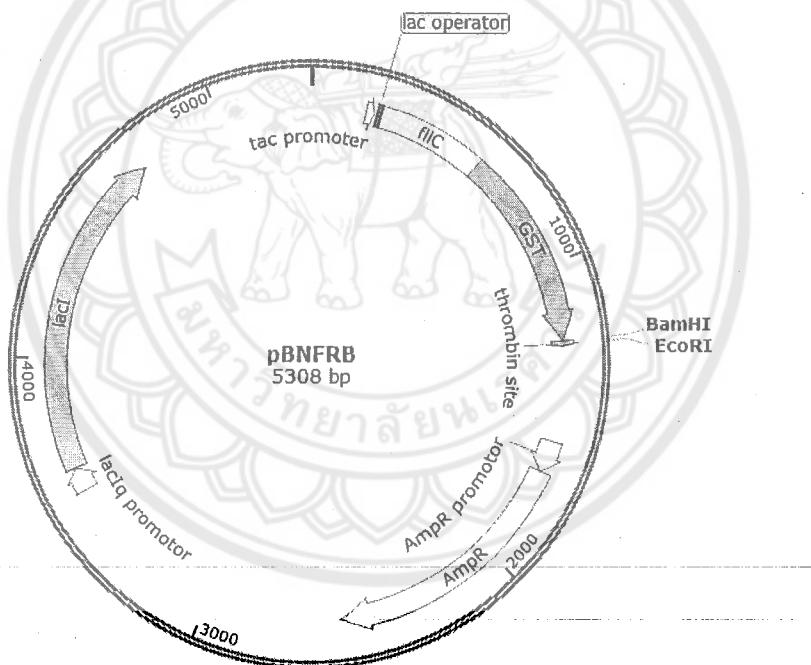
2. สายพันธุ์แบคทีเรียที่ใช้ในการวิจัย

1. เขี้ยว *Escherichia coli* สายพันธุ์ BL21
2. เเขี้ยว *Salmonella Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344

3. พลasmid และ Primers

พลาสมิด

pBNFRB เป็นพลาสมิดที่ได้รับความอนุเคราะห์จาก ณัฐพล ทิสยากร, ดาวารัตน์ วันชวา และ นุสรา ศรีแสงอ่อน เป็นพลาสมิดชนิด expression vector ประกอบด้วยยีน *fliC* และยีนสร้างโปรตีน GST โดยสามารถแสดงออกภายใต้การควบคุมของ tac promoter โดยอาศัยการเหนี่ยวนำของ IPTG มียีนดีอยา ampicillin (51) โดยมีรายละเอียดของพลาสมิดดังที่แสดงในภาพที่ 8



ภาพที่ 8 แสดงส่วนประกอบพื้นฐานของพลาสมิด pBNFRB ที่ใช้ในการวิจัย

Primers

- Cloning primers

Primers	Oligonucleotide sequence
LipL41 Bam F	CGTGGATCCAGAAAATTATCTTCCTAATTCTG
LipL41 HIS Eco R	ATGAATTCTTAATGATGATGATGATGATGCTTGCCTTGCTTCGTCA ACGGCGAAAG

- Colony checking primers

Primers	Oligonucleotide sequence
GST F	GCCACGTTGGTGGTGGCGACC
His Eco R	TGAATTCTCAGTGGTGGTGGTGGTGGT

4. เครื่องมือในการวิจัย

4.1 ครุภัณฑ์

1. เครื่อง orbital incubator Shaker รุ่น GYROMAX™737 บริษัท Amerex Instruments ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
2. เครื่อง Centrifuge บริษัท Heraeus ประเทศไทยเยอรมัน
3. เครื่อง PCR รุ่น Major cycler บริษัท Major Science ประเทศไทยสหรัฐอเมริกา
4. เครื่อง Electrophoresis (Power supply) รุ่น EC250-90 บริษัท E-C Apparatus ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
5. เครื่อง Electrophoresis (Power supply) รุ่น POWER PAC 300 บริษัท BIO-RAD ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
6. เครื่อง Electroporation system รุ่น ECM 399 บริษัท BTX HARVARD APPARATUS ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
7. ชุดแยกโปรตีนด้วยกระแสไฟฟ้าชนิดแนวตั้ง รุ่น Mini-PROTEAN® 3 cell บริษัท BIO-RAD ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
8. ชุด Electroblotter รุ่น V10-EB10 บริษัท SCIE-PLAS ประเทศไทยสหราชอาณาจักร
9. เครื่อง Mini Horizontal Gel Electrophoresis System บริษัท Major Science ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
10. เครื่อง ChemiDoc™ XRS+ System บริษัท BIO-RAD ประเทศไทยสหรัฐอเมริกา
11. เครื่อง Gel documentation รุ่น Platinum D55 บริษัท UVITEC Cambridge ประเทศไทยสหราชอาณาจักร
12. เครื่อง Vortex Mixer รุ่น Vortex genie-2 ประเทศไทยสหรัฐอเมริกา
13. เครื่อง High-speed Mini-centrifuge รุ่น Microspin 12 บริษัท Biosan ประเทศไทยลัตเวีย
14. เครื่อง Thermo-Block บริษัท Biosan ประเทศไทยลัตเวีย
15. เครื่องปั่นเหวี่ยงหนีศูนย์กลางความเร็วสูงแบบตั้งเตี้ย รุ่น 2070 ยี่ห้อ Hettich บริษัท เบคไทย กรุ๊เพทอุปกรณ์เคมีภัณฑ์จำกัด

4.2 วัสดุอุปกรณ์

1. เครื่องแก้วพื้นฐาน
2. Sterile tips
3. Auto pipette
4. Hockey stick
5. Loop
6. จานเพาะเชื้อ
7. Test tube, Collection tube, Falcon tube และ Eppendorf tube

4.3 สารเคมี

1. Polyacrylamide
2. 1X Tris-glycine buffer
3. T4 DNA ligase และ buffer บริษัท Thermo Fisher Scientific Inc. ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
4. Skim milk บริษัท Hardydiagnostics ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
5. BamH I restriction enzyme บริษัท Thermo Fisher Scientific Inc. ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
6. EcoR I restriction enzyme บริษัท Thermo Fisher Scientific Inc. ประเทศไทย สหรัฐอเมริกา
7. Ampicillin บริษัท Bio Basic inc. ประเทศไทยแคนาดา
8. Ammonium per sulfate บริษัท Darmstadt ประเทศไทยเยอรมัน
9. IPTG
10. ชุดสกัดพลาสมิด Mini Plus™ Plasmid DNA Extraction System บริษัท Viogene ประเทศไทยใต้หัวน้ำ
11. ชุดสกัด PCR product จากเจล HiYield™ Gel/PCR DNA Fragment Extraction kit บริษัท RBC Bioscience ประเทศไทยใต้หัวน้ำ

5. วิธีการทดลอง

5.1 การเตรียมชิ้นส่วนยีน *lipL41*

5.1.1) การเพิ่มจำนวนชิ้นส่วนยีน *lipL41* (52)

เพิ่มจำนวนชิ้นส่วนยีน *lipL41* โดยใช้เทคนิค Polymerase chain reaction (PCR) โดยใช้ genomic ของเชื้อ *Leptospira* spp. เป็นแม่แบบ ซึ่งส่วนผสมของ Master mix 1x ประกอบไปด้วย 200 μM dNTPs, 0.2 μM Forward Primer, 0.2 μM Reverse Primer, Template DNA, 1.25 U Taq DNA Polymerase และเติมน้ำให้ได้ปริมาณสุดท้ายเท่ากับ 50 μl ซึ่งเป็นปริมาตรที่ทำให้เกิดปฏิกิริยาของ PCR โดย primer ที่ใช้นั้น ได้มีการออกแบบให้มีความจำเพาะต่อชิ้นส่วนยีน *lipL41* จากนั้นนำเข้า PCR thermocycle โดยใช้จำนวน 30 รอบ ดังแสดงในตาราง และนำ PCR product ที่ได้ไปตรวจสอบโดยเทคนิค agarose gel electrophoresis

ตารางแสดงอุณหภูมิที่ใช้ในปฏิกริยา PCR

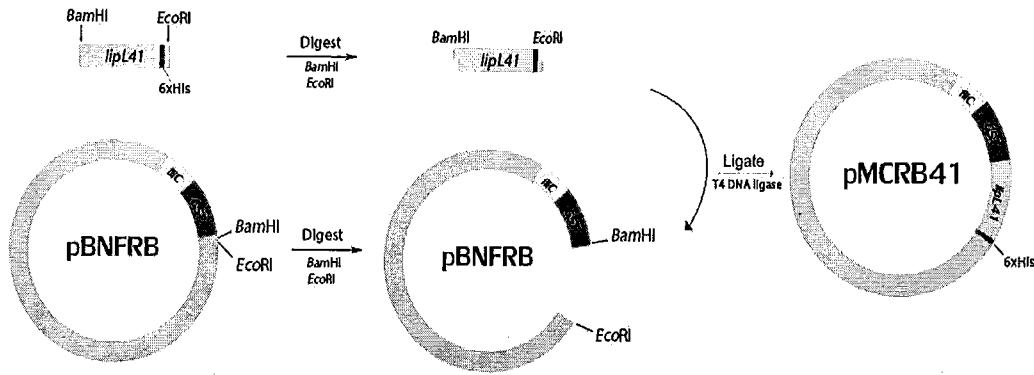
ขั้นตอน	อุณหภูมิ (°C)	เวลา	
Pre-denaturation	95	5 นาที	30
Denaturation	95	30 วินาที	
Annealing	53	30 วินาที	
Extension	68	90 วินาที	
Final extension	68	5 นาที	

5.1.2) การตรวจสอบ PCR product ด้วยวิธี agarose gel electrophoresis (53)

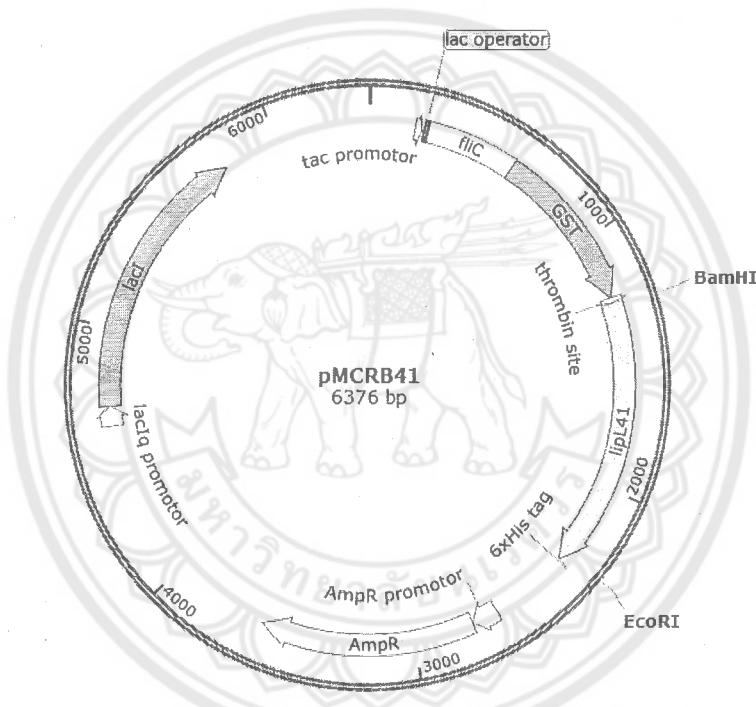
เตรียมเจลโดยใช้ agarose gel ความเข้มข้น 0.6% ซึ่งมีส่วนผสมของ Ethidium bromide จากนั้นเติม 1x TAE buffer จนท่วมเจล แล้วนำ PCR product ที่ได้จากการเพิ่มจำนวนด้วยเทคนิค PCR มาผสมกับ loading dye และหยดลงในช่องบนเจลที่เตรียมไว้ ประกอบอุปกรณ์เข้ากับสายไฟฟ้า โดยให้ด้านของ PCR product อยู่ข้างลับ ใช้ความต่างศักย์ที่ 100 โวลต์ เป็นเวลาประมาณ 20 นาที หลังจากนั้นนำเจลที่ได้ไปตรวจสอบภายใต้แสง UV ด้วยเครื่อง UV transilluminator

5.2) การเชื่อมชิ้นส่วนยีน *lipL41* เข้ากับพลาสมิด pBNFRB (54)

เตรียมพลาสมิด pBNFRB และชิ้นส่วนยีน *lipL41* โดยนำมาตัดด้วย restriction enzyme EcoRI และ BamHI ปัมที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง และหยุดการทำงานของเอนไซม์โดยการปัมที่ อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 15 นาที จากนั้นทำการเชื่อมชิ้นส่วนยีน *lipL41* เข้ากับพลาสมิด pBNFRB โดยนำส่วนของยีน *lipL41* ต่อเข้าทางด้านหลังของยีน GST ดังที่แสดงในภาพที่ 9 จากนั้นนำมาทำ ligation โดยมีส่วนผสมของ Ligation reaction ประกอบไปด้วย 1x DNA ligase buffer, พลาสมิด pBNFRB, ชิ้นส่วนยีน *lipL41*, 1 U T4 DNA ligase และเติมน้ำกลั่นจนปริมาตรครบ 20 μl ใส่ลงใน microcentrifuge tube และผสมโดยใช้ Auto pipette ดูดชิ้นลง บีบไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 1 ชั่วโมง โดยเรียกพลาสมิดที่ได้จากการเชื่อมชิ้นส่วนยีน *lipL41* เข้ากับพลาสมิด pBNFRB ว่าพลาสมิด pMCRB41 โดยมีขนาดและรายละเอียด ดังแสดงในภาพที่ 10



ภาพที่ 9 แสดงขั้นตอนการ digestion โดยใช้อنزิม *Bam*HI และ *Eco*RI จากนั้นทำการเชื่อมยืน *lipL41* เข้ากับพลาสมิด *pBNFRB* จนได้พลาสมิดใหม่ที่มีชื่อว่า *pMCRB41*



ภาพที่ 10 แสดงส่วนประกอบพื้นฐานของพลาสมิด *pMCRB41* ที่ได้จากการเชื่อมชิ้นส่วนยืน *lipL41* เข้ากับพลาสมิด *pBNFRB*

5.3) การคัดเลือกพลาสมิด

5.3.1) การเตรียม competent cell จาก *E. coli* (55)

เลี้ยง *E. coli*สายพันธุ์ BL 21 ปริมาตร 0.5 ml ใน LB broth ปริมาตร 50 ml ปั่นใน shaking incubator ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ข้ามคืน จากนั้นเทส่วนผสมทั้งหมดลงในหลอดทดลอง นำไปแช่น้ำแข็งเป็นเวลา 10 นาที หลังจากนั้นนำไปปั่นด้วยความเร็ว 6,000 rpm เป็นเวลา 3 นาที เทส่วนใส่ด้านบนทึ้ง หลังจากนั้นเติมสารละลายน 0.1 M CaCl_2 ปริมาตร 10 ml และนำไปแช่น้ำแข็งเป็นเวลา 20 นาที แล้วนำไปปั่นที่ความเร็ว 6,000 rpm เป็นเวลา 3 นาที เทส่วนใส่ด้านบนทึ้ง เติมสารละลายน 0.1 M CaCl_2 จากนั้น

เติม Glycerol ลงไป ผสมให้เข้ากัน จากนั้นแบ่งใส่ microcentrifuge tube หลอดละ 100 μl และเก็บชัลล์ที่ -80 องศาเซลเซียส

5.3.2) การนำ ligation product เข้าสู่ competent cell

ผสม competent cell ที่เตรียมไว้ปริมาตร 100 μl กับ ligation product จำนวน 8 μl ลงใน microcentrifuge tube แล้วนำไปแช่น้ำแข็งเป็นเวลา 30 นาที จากนั้นนำมาใส่ลงใน water bath หันที่ที่ อุณหภูมิ 42 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 90 วินาที นำไปแช่ในน้ำแข็งอีกครั้งเป็นเวลา 2 นาที จากนั้นนำ LB broth ปริมาตร 0.9 ml ใส่ลงใน microcentrifuge tube แล้วนำไปปั่นใน shaking incubator ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง ดูด competent cell ปริมาตร 200 μl ลงใน LB agar ที่มีส่วนผสมของ 100 $\mu\text{g/ml}$ Ampicillin บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส ข้ามคืน

5.3.3) Colony PCR

เลือกโคลอนีของแบคทีเรีย ที่เจริญบน LB agar plate ที่ผสมด้วยยา Amplicilin แล้วเอย์โคลอนีใส่ PCR tube และเติม master mix โดยใช้ primer ที่จำเพาะกับส่วนของ GST และ 6xHis จากนั้นนำไปทำ PCR จำนวน 20 รอบ นำ PCR product ที่ได้มาตรวจสอบด้วย agarose gel electrophoresis และสังเกต band ที่เกิดขึ้น ถ้าหากมี band เกิดขึ้น ให้ทำการเอย์โคลอนีนั้นมาเลี้ยงใน LB broth ที่ผสมด้วยยา Amplicilin และปั่นที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นกระตุ้นให้มีแสดงออกเป็นโปรตีน ด้วย 1 mM IPTG ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง แล้วนำไปทำ SDS-PAGE ต่อไป

5.4) การตรวจสอบพลาสมิดที่สามารถแสดงออกเป็นโป恩ตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag

5.4.1) SDS-PAGE (56)

เตรียม Polyacrylamide gel ได้แก่ separating และ stacking gel จากนั้นนำไปประกอบที่เครื่อง run electrophoresis ใส่ SDS running buffer และนำชัลล์ที่ได้จากการกระตุ้นด้วย IPTG มาผสมกับ 2X sample loading buffer นำไปต้มที่ความร้อน 95 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที แล้วปั่นที่ 14,000 rpm 10 นาที นำ cell lysate ใส่ลงในแต่ละหลุม ใช้กราฟฟิกไฟฟ้า 150 โวลต์ เวลา 10 นาที เพื่อให้โปรตีนเข้าสู่ separating gel จากนั้นใช้กราฟฟิกไฟฟ้า 180 โวลต์ เวลา 30 นาที และนำไปทำ Western blot ต่อไป

5.4.2) Western blot (57)

เตรียม Tris-glycine-methanol (TGM) buffer ตัดแผ่น nitrocellulose membrane ให้เท่ากับขนาดของเจลแล้วจุ่ม membrane ลงใน TGM buffer เปิด Gel holder cassette จุ่ม fiber pad กับ TGM buffer และวางให้อยู่ตรงกลางของ black slide นำ filter paper 1 แผ่น จุ่มลงใน TGM buffer วางบน fiber pad นำเจลวางบน filter paper และวางmembrane ลงบนเจล นำ filter paper อีก 2 แผ่นวางบน membrane จากนั้นปิด Gel holder cassette วางลงใน tank และเติม TGM buffer ลงใน tank นำ tank ใส่ Styrofoam box ที่ประกอบด้วย ice และ run ด้วยกราฟฟิกไฟฟ้า 80 โวลต์ เป็นเวลา 30 นาที นำแผ่น membrane ที่มีโปรตีนซึ่งถูกย้ายมาจากเจล มาปั่นด้วย 5% skim milk ซึ่งใช้เป็น blocking buffer ที่ อุณหภูมิห้องโดยการเขย่าเบาๆ 15 นาที จากนั้น incubate membrane กับ primary antibody ที่จำเพาะต่อ 6xHis tag บ่มที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลาข้ามคืน จากนั้นล้างด้วย TBS-T 5 นาที 3 ครั้ง ทำการเติม secondary antibody ที่ติดฉลากด้วยเอนไซม์ anti-rabbit IgG conjugated with horseradish peroxidase

antibody บ่มที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 1 ชั่วโมง จากนั้นล้างด้วย TBS-T 5 นาที 3 ครั้ง นำแผ่น membrane มาสังเกต band โดยการใส่ substrate และถ่ายด้วยเครื่อง ChemiDoc เพื่อคุณว่าโคลนได้สามารถแสดงออกเป็นโปรตีนที่สนใจได้

5.5) การสกัดพลาสมิดโดยใช้ HiYield™ Plasmid mini Kits (58)

เลือกโคลนของเชื้อ *E. coli* ที่มีการแสดงออกเป็นโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis tag มาเลี้ยงใน LB broth ปริมาตร 5 ml ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 คืน จากนั้นนำไปปั่นด้วยความเร็ว 6,000 rpm เป็นเวลา 15 นาที ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เทส่วนใส่ด้านบนทึ้ง เติม PD1 buffer ปริมาตร 400 μl ผสมโดยใช้ Auto pipette ดูดขึ้นลง จนตะกอนละลายหมด ดูดสารละลายทั้งหมดใส่ลงใน microcentrifuge tube จากนั้นเติม PD2 buffer ปริมาตร 400 μl ผสมแบบ invert 10 ครั้ง ตั้งที่ไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 2 นาที เติม PD3 buffer ปริมาตร 600 μl ผสมแบบ invert 10 ครั้ง นำไปปั่นที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 10 นาที นำ PD column ใส่ลงใน collection tube ดูดส่วนใส่จาก microcentrifuge tube ใส่ลงใน column นำไปปั่นที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 1 นาที เทส่วนใส่ที่อยู่ใน collection tube ออก เติม WN Buffer ปริมาตร 500 μl ลงใน PD column นำไปปั่นที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 1 นาที เทส่วนใส่ที่อยู่ใน collection tube ออก เติม WS buffer 700 μl นำไปปั่นที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 1 นาที เทส่วนใส่ที่อยู่ใน collection tube ออก จากนั้นนำไปปั่นอีกครั้งที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 2 นาที เพื่อทำให้แห้ง นำ PD column ใส่ลงใน microcentrifuge tube เติมน้ำกัลลั่นปริมาตร 50 μl ตั้งที่ไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 3 นาที จากนั้นนำไปปั่นที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 2 นาที ก็จะได้พลาสมิดที่เราต้องการนำเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium*

5.6) การทดสอบการหลั่งโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis tag ออกมานิอาหารเลี้ยงเชื้อของ *S. Typhimurium* (59)

5.6.1) การเตรียม competent cell จากเชื้อ *S. Typhimurium*

นำเชื้อ *S. Typhimurium* จาก stock มา streak บน LB plate และนำไปปั่นที่ 37 องศาเซลเซียส ต่อมานำ single colony ที่ขึ้นมาเลี้ยงที่ LB broth ใน flask และเลี้ยงไว้ใน shaking incubator ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมงแล้วนำไปเก็บไว้ในน้ำแข็ง นำไปปั่นที่ 6,000 rpm เวลา 15 นาที ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส นำส่วนใส่ออกแล้วนำไปล้างด้วยน้ำกลั่น และนำไปปั่นที่ 6,000 rpm เวลา 15 นาที ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เทส่วนใส่ออก (ล้าง 2 ครั้ง) จากนั้นเติม 10% glycerol 5 ml นำไปปั่นที่ 10,000 rpm เวลา 5 นาที ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส และเทส่วนใส่ออก (ทำ 2 ครั้ง) จากนั้นทำการนำพลาสมิดเข้าสู่เซลล์

5.6.2) การนำพลาสมิดเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium*

สกัดพลาสมิด pMCRB41 ที่สามารถแสดงออกเป็นโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis tag ในเชื้อ *E. coli* ด้วย HiYield™ Plasmid mini Kits และนำไปเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 หรือ Wild type และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagella นำพลาสมิด pMCRB41 เข้าสู่เซลล์ด้วยวิธี electroporation โดยผสม electrocompetent cell กับ พลาสมิดแล้วนำไปปั่นในน้ำแข็ง จากนั้นนำไปใส่ใน electroporation cuvette ด้วยกระแสไฟฟ้า 2.5 kV เติม LB broth 1 ml และนำไปปั่นใน microcentrifuge tube ปั่นใน shaking incubator ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง และ

นำเซลล์ที่ได้มาคัดเลือกโดยเลี้ยงบน LB plate ที่มีส่วนผสมของยา Ampicillin ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลาข้ามคืน

5.6.3) การหาเวลาการระตุนการสร้างโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ใน S. Typhimurium
เลือก single colony บน LB agar ที่มี Ampicillin มาเลี้ยงใน LB broth แล้วบ่มไว้ใน shaking incubator ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลาข้ามคืน นำเข้าที่ได้ปริมาตร 0.1 ml เลี้ยงใน Flask ในอาหาร LB broth 20 ml ที่มี Ampicillin ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นเติม 1 mM IPTG เพื่อกระตุนให้มีการแสดงออกของโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag บ่มที่ 37 องศาเซลเซียส โดยจะแบ่งเวลาการรับประทานน้ำไปเป็น 1, 2, 3, 4 ชั่วโมง และข้ามคืน จากนั้นทำการเก็บเซลล์ตามเวลาที่กำหนด โดยการวัดค่า OD ให้ได้ค่าเท่ากับ 0.3 เพื่อบรรบเซลล์ให้เท่ากัน จากนั้นนำไปปั่นที่ 14,000 rpm เป็นเวลา 10 นาที และเก็บที่ -20 องศาเซลเซียส

5.6.4) การตรวจสอบเวลาที่เหมาะสมในการสร้างโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag
ทำการตรวจสอบการสร้างโปรตีนด้วยเทคนิค SDS-PAGE และ Western blot โดยนำเซลล์ที่เก็บไว้ที่ -20 องศาเซลเซียส ผสมกับน้ำกลั่นและ 2X sample loading buffer อย่างละ 100 µl ผสมกันและนำไปต้มที่อุณหภูมิ 95 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที จากนั้นนำไปปั่นที่ 14,000 rpm เวลา 10 นาที จากนั้นนำไปทำการแยกโปรตีนด้วยวิธี SDS-PAGE แล้วทำการตรวจสอบการสร้างโปรตีนด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้ antibody ต่อ His จากนั้นนำไปสังเกต band ที่เกิดขึ้นด้วยเครื่อง Chemi-Doc แล้วเลือกเวลาที่เหมาะสมในการกระตุนการสร้างโปรตีน

5.6.5) การกระตุนการสร้างโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ใน S. Typhimurium
เลือก single colony บน LB agar ที่มี Ampicillin มาเลี้ยงใน LB broth แล้วบ่มไว้ใน shaking incubator ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลาข้ามคืน นำเข้าที่ได้ปริมาตร 0.1 ml เลี้ยงใน LB broth 1 ml ที่มี Ampicillin ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นเติม 1 mM IPTG เพื่อกระตุนให้มีการแสดงออกของโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag บ่มที่ 37 องศาเซลเซียส โดยใช้เวลาการกระตุนการสร้างโปรตีนจากการทดลองที่ 5.6.4 แล้วทำการเก็บแยกในส่วนของเซลล์และอาหารเลี้ยงเชื้อ โดยในส่วนของเซลล์ทำการวัดค่า OD ให้ได้ค่าเท่ากับ 0.3 () เพื่อบรรบเซลล์ให้เท่ากัน และทำการเก็บในส่วนของอาหารเลี้ยงเชื้อโดยการปั่นที่ 3000 rpm เวลา 45 นาที จากนั้นนำส่วนของเซลล์และอาหารเลี้ยงเชื้อไปตรวจสอบด้วยวิธี SDS-PAGE และ Western blot เพื่อดูการหลั่งโปรตีนออกนอกเซลล์

5.6.6) การตรวจสอบการหลั่งโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ออกมากในอาหารเลี้ยงเชื้อ
นำส่วนของอาหารเลี้ยงเชื้อมาตักกอนด้วย 10% TCA เพื่อเพิ่มความเข้มข้นของโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อและแซน้ำแข็งเป็นเวลา 1 ชั่วโมงนำไปปั่นเพื่อเอา TCA และอาหารเลี้ยงเชื้อออกโดยเทส่วนใสทึบรองลงตักกอนแห้ง ทำให้เป็นกลางโดยใส่ Tris pH 8.0 จากนั้นนำไปทำการตรวจสอบโปรตีนด้วย SDS-PAGE และ Western blot โดยการใช้ antibody ต่อ His เพื่อติดตามโปรตีนที่สร้างขึ้น และใช้ antibody ต่อ DnaK เพื่อดูว่าผลผลิตโปรตีนที่หลั่งออกมานอกเซลล์ไม่ได้เกิดจากการแตกของเซลล์ เนื่องจาก DnaK เป็น chaperone protein ที่อยู่ภายในเซลล์ เพื่อยืนยันว่าโปรตีนที่พบในอาหารเลี้ยงเชื้อไม่ได้เกิดจากการแตกของเซลล์ สังเกต band ที่เกิดขึ้น

5.7) การตรวจสอบ soluble protein และ insoluble protein

5.7.1) การทำให้เซลล์แตกด้วยวิธี ultrasound treatment

เลือก single colony บน LB agar ที่มี Ampicillin มาเลี้ยงใน LB broth แล้วปั่นไว้ใน shaking incubator ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลาข้ามคืน นำเข้าที่ได้ปริมาตร 0.1 ml เลี้ยงใน Flask ในอาหาร LB broth 20 ml ที่มี 1 mM Ampicillin ที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นเติม 1 mM IPTG เพื่อกระตุ้นให้มีการแสดงออกของโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag และทำการเก็บเซลล์ โดยทำการปั่นที่ 3000 rpm เวลา 45 นาที จากนั้นเทส่วนใสทิ้ง และทำการเติม TBS-T 1 ml จากนั้นนำไปทำให้เซลล์แตกโดยใช้เครื่อง sonicator ในน้ำแข็ง จากนั้นทำการปั่นแยกส่วนใสกับส่วนตะกอน ทำการล้างตะกอนด้วย TBS-T อีก 2 ครั้งเพื่อกำจัดส่วนของโปรตีนบางส่วนที่อาจจจะหลงเหลืออยู่

5.7.2) การตรวจสอบ soluble protein และ insoluble protein

นำส่วนของตะกอนและส่วนใสนำมาตรวจสอบความเป็น soluble protein และ insoluble protein โดยใช้เทคนิค SDS-PAGE และ Western blot โดยการใช้ antibody ต่อ His เพื่อติดตามโปรตีนที่สร้างขึ้น โดยตะกอนก็คือ insoluble protein หรือ inclusion bodies และส่วนใส คือ soluble protein จากนั้นนำสังเกต band ที่เกิดขึ้นที่เครื่อง Chemi-Doc เพื่อสังเกตว่าโปรตีนที่สร้างออกมามาเป็น inclusion bodies หรือไม่



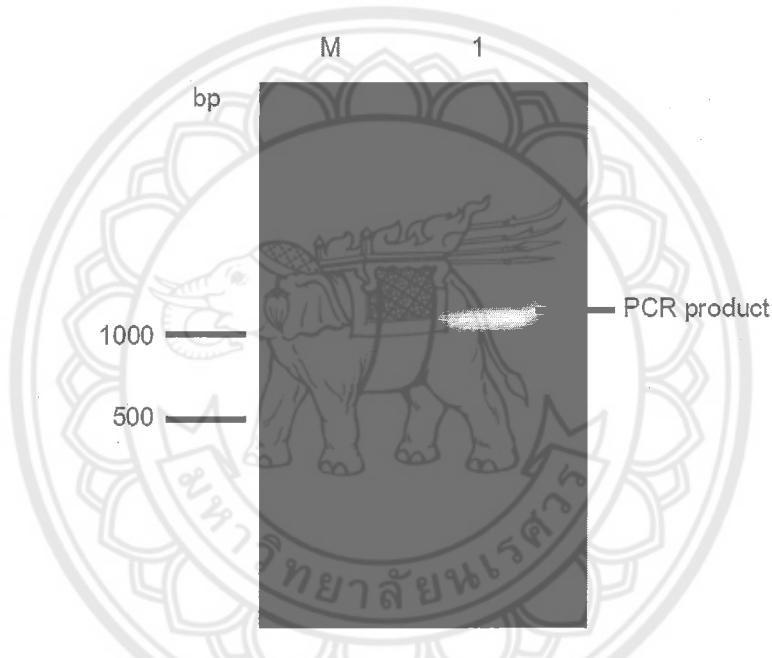
บทที่ 4

ผลการวิจัย

1. การเตรียมขั้นส่วนยีน *lipL41*

งานวิจัยนี้ได้นำ Genomic ของเชื้อ *Leptospira* spp. ที่มีอยู่แล้วในห้องปฏิบัติการมาเป็นต้นแบบในการเพิ่มจำนวนขั้นส่วนยีน *lipL41* ซึ่งเป็นยีนที่มีการแสดงออกเป็นส่วนของเยื่อหุ้มเซลล์ชั้นนอกของเชื้อ *Leptospira* spp. โดยการเพิ่มจำนวนด้วยเทคนิค PCR ซึ่ง primer ที่ใช้จะจำเพาะกับส่วนของยีน *lipL41* และมีส่วนของ *BamHI* restriction site อยู่ที่ส่วนต้น และส่วนของ *EcoRI* restriction site และโปรตีน histidine 6 ตัว อยู่ที่ส่วนท้าย โดยมีลำดับเบสของ primer ดังที่แสดงในบทที่ 3

หลังจากทำการเพิ่มจำนวนยีน *lipL41* โดยเทคนิค PCR จากนั้นนำไปตรวจสอบด้วยเทคนิค agarose gel electrophoresis ซึ่งพบว่าขั้นส่วนยีน *lipL41* มีขนาดประมาณ 1100 bp ดังที่แสดงในภาพที่ 11



ภาพที่ 11 แสดงขนาดขั้นส่วนยีน *lipL41* ที่ทำการเพิ่มจำนวนจาก Genomic DNA ของเชื้อ *Leptospira* spp. ด้วยเทคนิค PCR และตรวจสอบโดย agarose gel electrophoresis ที่ย้อมด้วย Ethidium bromide แล้วถ่ายภาพใต้แสง Ultraviolet โดย lane M คือ DNA marker lane 1 คือ PCR product ที่เกิดขึ้นซึ่งมีขนาดประมาณ 1100 bp

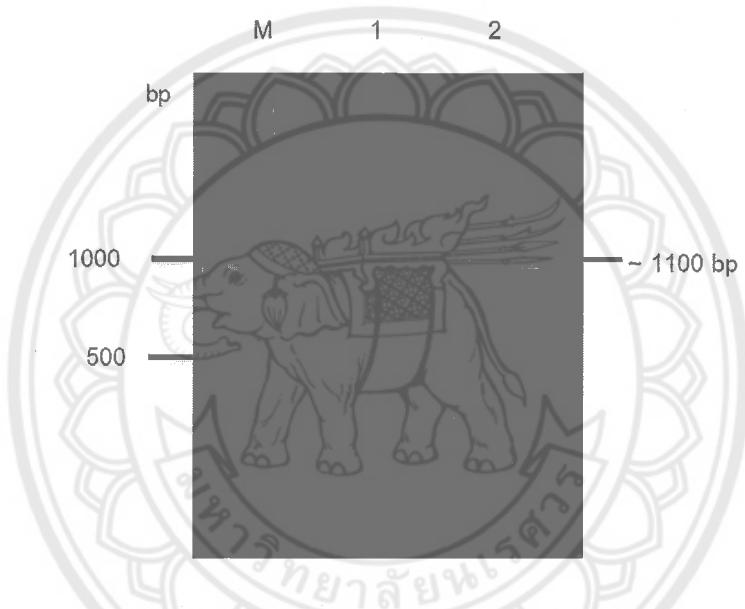
2. การเชื่อมขั้นส่วนยีน *lipL41* เข้ากับพลาสมิດ pBNFRB

หลังจากทำการเพิ่มจำนวนยีน *lipL41* จากนั้นนำยีน *lipL41* เชื่อมต่อเข้ากับพลาสมิດ pBNFRB โดยการตัดด้วย restriction enzyme *BamHI* และ *EcoRI* โดยส่วนของยีน *lipL41* จะถูกต่อเข้าทางด้านหลังของยีน GST ดังที่แสดงในภาพที่ 9 จากนั้นทำการเชื่อมกันด้วยเอนไซม์ T4 DNA ligase ซึ่งจะทำให้ได้พลาสมิດใหม่ที่มีชื่อว่า pMCRB41 โดยมีขนาดประมาณ 6,376 bp โดยมีรายละเอียด ดังที่แสดงในภาพที่ 10

3. การคัดเลือกพลาสมิด pMCRB41 ใน *E. coli*

เมื่อได้พลาสมิด pMCRB41 ซึ่งสามารถแสดงออกเป็นโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6x His tag โดยมีส่วนของโปรตีน FlIC ที่ใช้เป็นโปรตีนที่ช่วยในการหลังโปรตีนออกสูนอกเซลล์ผ่านทาง T3SS ของเชื้อ *S. Typhimurium* โดยทำการคัดเลือกพลาสมิดในเชื้อ *E. coli* สายพันธุ์ BL 21 โดยนำพลาสมิดเข้าสู่เซลล์ด้วยวิธี heat shock แล้วนำไปเลี้ยงบน LB agar ที่มียา Ampicillin นำไปบ่มเป็นเวลาข้ามคืน โดยพบว่ามีโคโลนีขึ้นบนอาหารทั้งหมด 2 โคโลนี จากนั้นนำโคโลนีทั้งหมดมาตรวจสอบพลาสมิด pMCRB41 ด้วยเทคนิค Colony PCR โดยใช้ primers ที่จำเพาะ โดย forward primer จำเพาะกับส่วนของ GST ของพลาสมิด pMCRB41 และ reverse primer จะจำเพาะกับ 6xHis ของชิ้นส่วนยืน *LipL41* โดยลำดับเบสดังที่แสดงในบทที่ 3

จากนั้นนำ PCR product มาทำ agarose gel electrophoresis พบร้าโคโลนีที่ 2 มี band เกิดขึ้นโดยมีขนาดประมาณ 1100 bp ตั้งที่แสดงในภาพที่ 12 จึงคาดว่าเป็นโคโลนีที่มีพลาสมิด pMCRB41



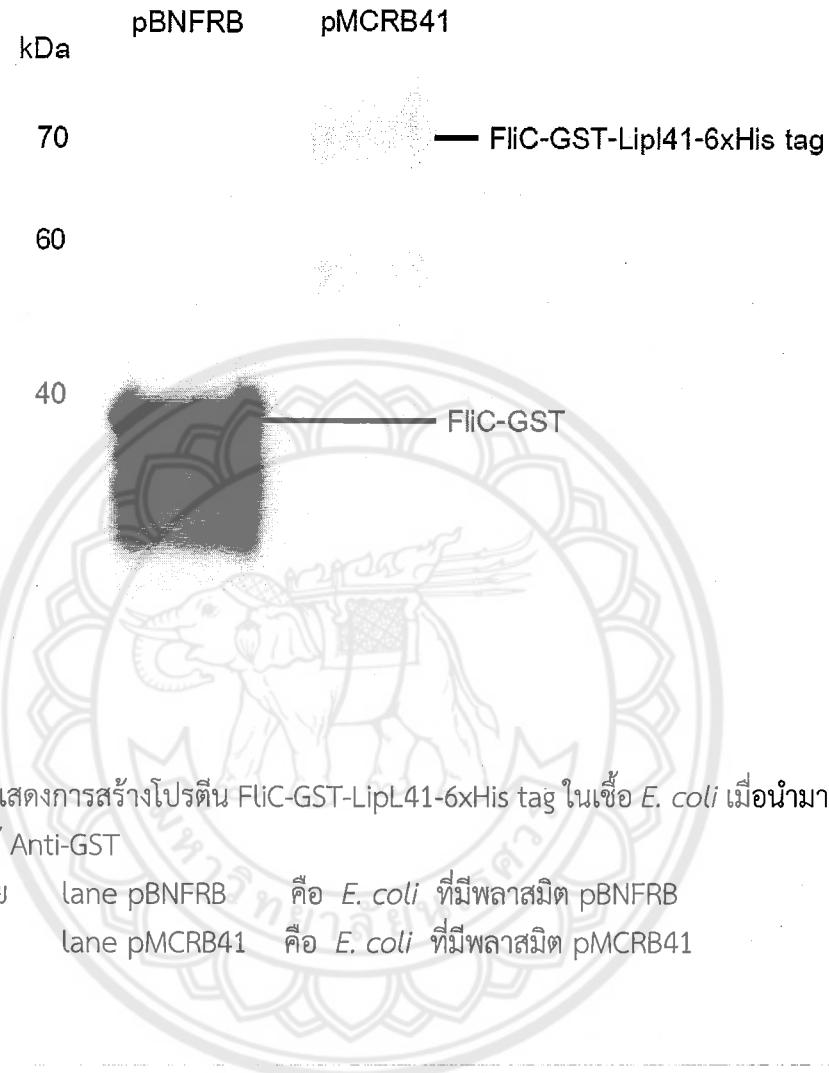
ภาพที่ 12 แสดงผลผลิต PCR จากการทำ Colony PCR และตรวจสอบด้วย agarose gel electrophoresis ที่ย้อมด้วย Ethidium bromide และดูภายใต้แสง Ultraviolet

โดย	lane M	คือ DNA marker
	lane 1-2	คือ โคโลนีหมายเลข 1-2 ตามลำดับ

4. การตรวจสอบพลาสมิด ที่สามารถแสดงออกเป็นโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis tag

เมื่อพบร้าโคโลนีที่ 2 ที่คาดว่ามีพลาสมิด pMCRB41 จึงนำโคโลนีดังกล่าวมาทดสอบการแสดงออกเป็นโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis tag ในเชื้อ *E. coli* โดยการรีดต้นด้วย 1 mM IPTG จากนั้นนำไปตรวจสอบโปรตีนด้วยวิธี SDS-PAGE และ Western blot โดยใช้ antibody ต่อ GTS และ Histidine โดยทำการตรวจสอบเบรเยินเทียบกับพลาสมิด pBNFRB โดยผลของการใช้ antibody ต่อ GST ในพลาสมิด pBNFRB พบร band ของโปรตีน FlIC-GST เกิดขึ้นโดยมีน้ำหนักประมาณ 40 kDa และมีลักษณะเป็น multiple band ในส่วนของพลาสมิด pMCRB41 พบร band เกิดขึ้น 3 band โดยมีน้ำหนักโมเลกุลประมาณ 70 kDa, 60 kDa

และ 40 kDa และคาดว่าโปรตีนที่มีน้ำหนักโมเลกุลประมาณ 70 kDa น่าจะเป็นโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ดังที่แสดงในภาพที่ 13 ส่วนผลของการใช้ antibody ต่อ Histidine ในพลาสมิด pBNFRB พบว่าไม่มี band เกิดขึ้น ในส่วนของพลาสมิด pMCRB41 พบ band เกิดขึ้น 2 band โดยมีน้ำหนักโมเลกุลประมาณ 70 kDa และ 60 kDa โดยคาดว่าโปรตีนที่มีน้ำหนักโมเลกุลประมาณ 70 kDa น่าจะเป็นโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ดังที่แสดงในภาพที่ 14



ภาพที่ 13 แสดงการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ในเชื้อ *E. coli* เมื่อนำมาทำ Western blot โดยใช้ Anti-GST

โดย lane pBNFRB คือ *E. coli* ที่มีพลาสมิด pBNFRB
 lane pMCRB41 คือ *E. coli* ที่มีพลาสมิด pMCRB41

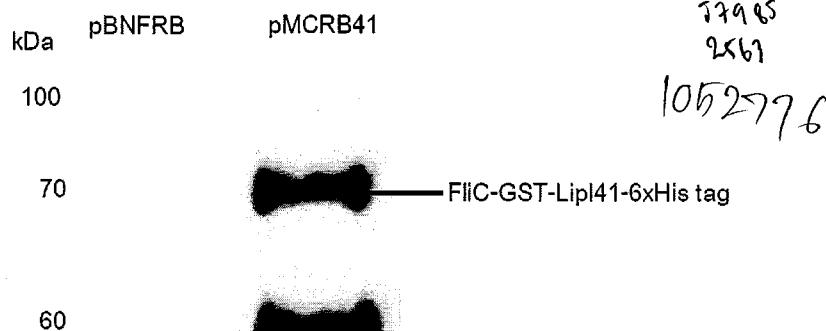
2 QR
901
S45
17985
2561

25



สำนักหอสมุด

14 มิ.ย. 2565

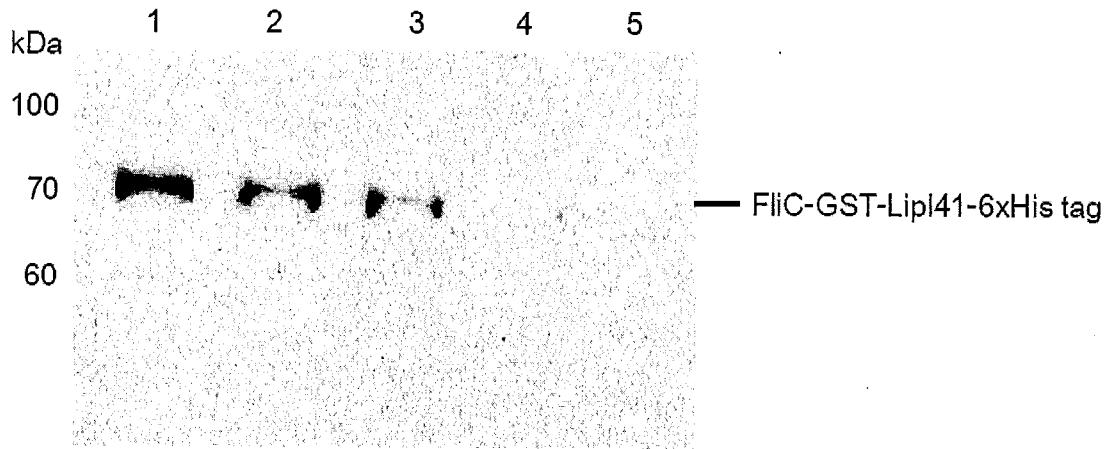


ภาพที่ 14 แสดงการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ในเชื้อ *E. coli* เมื่อนำมาทำ Western blot โดยใช้ Anti-His

โดย lane pBNFRB คือ *E. coli* ที่มีพลาสมิด pBNFRB
lane pMCRB41 คือ *E. coli* ที่มีพลาสมิด pMCRB41

5. การทดสอบการหลังโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ออกมากในอาหารเลี้ยงเชื้อของ *S. Typhimurium*

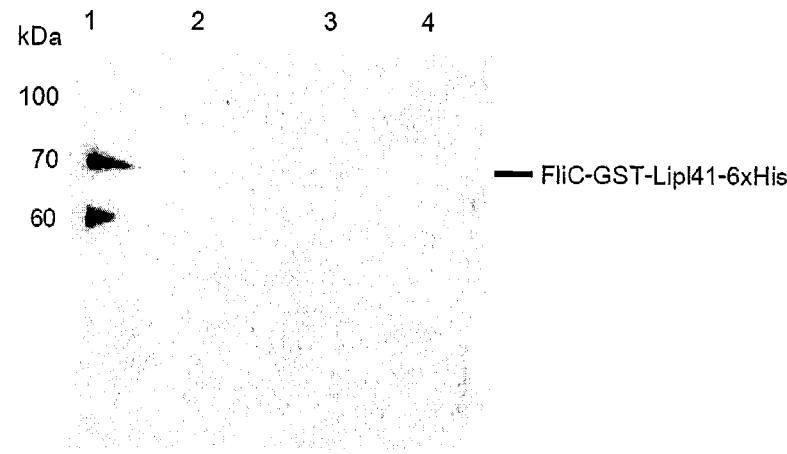
เมื่อทราบแล้วว่าโคลีโนนที่นำมาสามารถแสดงออกเป็นโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ได้ จึงทำการสกัดพลาสมิดจากโคลีโนนดังกล่าว เพื่อนำพลาสมิดเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 หรือ Wild type ด้วยวิธี electroporation และนำเซลล์ที่ได้มาคัดเลือกโดยเลี้ยงบน LB plate ที่มีส่วนผสมของยา Ampicillin และนำ single colony มากระตุนการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ด้วย 1 mM IPTG โดยจะแบ่งเวลากระตุนการสร้างโปรตีนออกเป็น 1, 2, 3, 4 ชั่วโมง และข้ามคืน จากนั้นทำการเก็บเซลล์ ตามเวลาที่กำหนด โดยการวัดค่า OD ให้ได้ค่าเท่ากับ 0.3 เพื่อปรับเซลล์ให้เท่ากัน และนำมาตรวจสอบการสร้างโปรตีนด้วย เทคนิค SDS-PAGE และ Western blot โดยใช้ antibody ต่อ His พบว่ามี band เกิดขึ้น โดยมีน้ำหนักประมาณ 75 kDa ที่เวลา 1, 2, 3, 4 ชั่วโมง แต่ไม่พบที่เวลาข้ามคืน และจากการสังเกตพบว่า ความเข้มของ band จะเริ่มจากลงเมื่อเวลาผ่านไป ดังที่แสดงในภาพที่ 15



ภาพที่ 15 แสดงการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ในเชื้อ *S. Typhimurium* โดยการกระตุ้นการสร้างโปรตีนด้วย IPTG ในระยะเวลาต่างๆ และตรวจสอบโปรตีนโดยเทคนิค Western blot โดยใช้ Anti-His

- โดย lane 1 คือ กระตุ้นการสร้างโปรตีนเป็นเวลา 1 ชั่วโมง
- lane 2 คือ กระตุ้นการสร้างโปรตีนเป็นเวลา 2 ชั่วโมง
- lane 3 คือ กระตุ้นการสร้างโปรตีนเป็นเวลา 3 ชั่วโมง
- lane 4 คือ กระตุ้นการสร้างโปรตีนเป็นเวลา 4 ชั่วโมง
- lane 5 คือ กระตุ้นการสร้างโปรตีนเป็นเวลาข้ามคืน

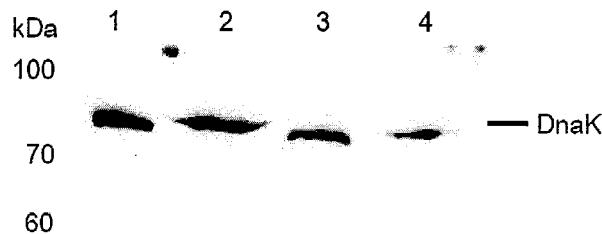
จากนั้นเลือกเวลาที่เหมาะสมในการกระตุ้นการสร้างโปรตีน เมื่อได้เวลาที่เหมาะสมในการกระตุ้นการสร้างโปรตีนแล้ว นำ single colony บน LB agar ที่มี Ampicillin ที่มีพลาสมิด pMCRB41 นำเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar มากระตุ้นการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ด้วย IPTG เป็นเวลา 3 ชั่วโมง ทำการเก็บเซลล์ตามเวลาที่กำหนด โดยการวัดค่า OD ให้ได้ค่าเท่ากับ 0.3 นำส่วนของอาหารเลี้ยงเชื้อปริมาตร 1 ml มาตกร่องด้วย 10% TCA เพื่อเพิ่มความเข้มข้นของโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อ นำส่วนของเซลล์และอาหารเลี้ยงเชื้อมาตรวจสอบโปรตีนด้วยเทคนิค SDS-PAGE และ Western blot โดยการใช้ antibody ต่อ Histidine และ DnaK โดยพบว่า antibody ต่อ Histidine พบร band เกิดขึ้นที่ส่วนของเซลล์ใน *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar โดยมีน้ำหนักประมาณ 70 kDa คาดว่าจะเป็นโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag แต่ไม่พบ band ที่ในส่วนของอาหารเลี้ยงเชื้อ ดังที่แสดงในภาพที่ 16



ภาพที่ 16 แสดงการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag ในเชื้อ *S. Typhimurium* ให้หลังออกมานิอาหารเลี้ยงเชื้อ และตรวจสอบโปรตีนโดยเทคนิค Western blot โดยใช้ Anti-His โดย

- lane 1 คือ ส่วนเซลล์ของเชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344
- lane 2 คือ ส่วนอาหารเลี้ยงเชื้อของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344
- lane 3 คือ ส่วนเซลล์ของเชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar
- lane 4 คือ ส่วนอาหารเลี้ยงเชื้อของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar

ในส่วนของการตรวจสอบการสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis tag โดยใช้ antibody ต่อ DnaK พบร่วมกับ band เกิดขึ้นทั้งในเซลล์และในอาหารเลี้ยงเชื้อ โดยมีขนาดประมาณ 80 kDa ทั้งใน *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar ดังที่แสดงในภาพที่ 17

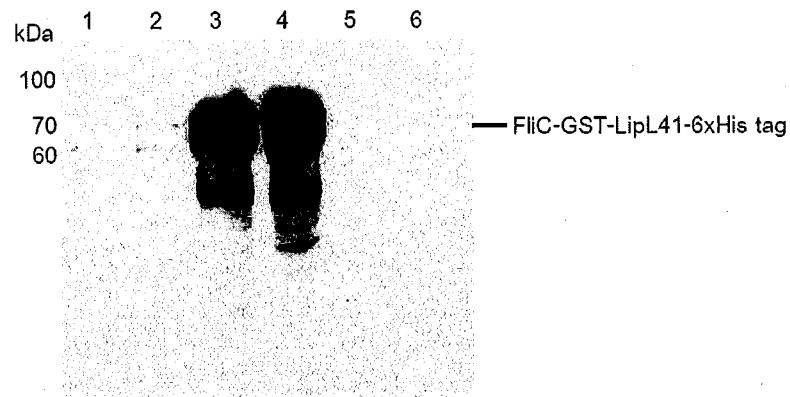


ภาพที่ 17 แสดงการตรวจสอบการแตกของเซลล์ในการสร้างโปรตีนของเชื้อ *S. Typhimurium* ด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้ Anti-DnaK

- โดย lane 1 คือ ส่วนเซลล์ของเชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344
- lane 2 คือ ส่วนอาหารเลี้ยงเชื้อของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344
- lane 3 คือ ส่วนเซลล์ของเชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar
- lane 4 คือ ส่วนอาหารเลี้ยงเชื้อของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar

6. การตรวจสอบ soluble protein และ insoluble protein

จากการทดลองที่ผ่านมาพบว่าไม่มีการหลั่งโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ออกมายield เสื้อ ทางคณะผู้วิจัยจึงทำการตรวจสอบโปรตีนที่สร้างว่าเป็น soluble protein หรือ insoluble protein โดยนำพลาสมิด pMCRB41 เข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar กระตุ้นการสร้างโปรตีน ทำการเก็บเซลล์ และทำให้เซลล์แตกด้วยเครื่อง sonicator ทำการปั่นเพื่อแยกส่วนของเซลล์ และ cytoplasm ออกจากกัน โดยในส่วนของตะกอนนั้นจะเป็นส่วนที่มี insoluble protein หรือ inclusion bodies อยู่ และส่วนใส่เป็นส่วนที่มี soluble protein นำส่วนของ whole cell, insoluble protein และ soluble protein มาตรวจสอบโปรตีนด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้ antibody ต่อ Histidine โดยผลจากการทดลองพบว่า ในส่วนของ whole cell พบว่า มี band เกิดขึ้น 2 band ทั้งใน *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar ซึ่งมีน้ำหนักประมาณ 70 kDa และ 60 kDa ซึ่งน้ำหนัก 70 kDa คาดว่า น่าจะเป็นโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ผลในส่วนของ insoluble protein พบว่ามี band เกิดขึ้นหลาย band ทั้ง 2 สายพันธุ์ ซึ่งคาดว่าเป็นโปรตีนที่เกาะกลุ่มกันเกิดเป็น inclusion bodies และผลของ soluble protein พบว่าไม่มี band เกิดขึ้นในทั้ง 2 สายพันธุ์ ดังที่แสดงในภาพที่ 18



ภาพที่ 18 แสดงการตรวจสอบ soluble protein และ insoluble protein ในการสร้างโปรตีนของเชื้อ *S. Typhimurium* ด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้ Anti-His

โดย lane 1 คือ ส่วน whole cell ของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL
1344

lane 2 คือ ส่วน whole cell ของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar

lane 3 คือ ส่วน insoluble protein ของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344

lane 4 คือ ส่วน insoluble protein ของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar

lane 5 คือ ส่วน soluble protein ของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344

lane 6 คือ ส่วน soluble protein ของ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar

บทที่ 5

สรุป อภิปรายผล และข้อเสนอแนะ

งานวิจัยนี้ได้นำ Genomic ของเชื้อ *Leptospira* spp. ที่มีอยู่ในห้องปฏิบัติการ มาเป็นต้นแบบในการเพิ่มจำนวนชิ้นส่วนยีน *lipL41* ซึ่งเป็นยีนที่มีการแสดงออกเป็นส่วนของเยื่อหุ้มเซลล์ชั้นนอกของเชื้อ *Leptospira* spp. โดยนำชิ้นส่วนยีน *lipL41* ตัดต่อเข้ากับพลาสมิด pBNFRB ซึ่งมีส่วนของ *FliC* ที่มีส่วนของ export signal ใน การซักนำโปรตีนลูกผสมให้หลังออกอกเซลล์ผ่านทางระบบ Type III secretion system ของเชื้อ *S. Typhimurium* จากนั้นนำพลาสมิดที่สร้างขึ้นเข้าสู่เชื้อ *E. coli* สายพันธุ์ BL21 เพื่อเพิ่มจำนวนและคัดเลือกพลาสมิดที่สามารถแสดงออกเป็นโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis tag* ได้ ก่อนนำเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* เพื่อทดสอบการหลังโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis tag* ออกมายield อาหารเลี้ยงเชื้อ และทำการตรวจสอบโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อด้วยเทคนิค SDS-PAGE และ Western blot

ในการเพิ่มจำนวนชิ้นส่วนยีน *lipL41* จาก Genomic DNA ของเชื้อ *Leptospira* spp. โดยใช้เทคนิค PCR การเพิ่มจำนวนนั้น ในส่วนของ Reverse primer จะมีส่วนของโปรตีน Histidine 6 ตัว ซึ่งใช้ในการตรวจติดตามโปรตีน *LipL41* เมื่อมีการแสดงออก ผลจากการเพิ่มจำนวนที่ตรวจสอบด้วย agarose gel electrophoresis พบร่องผลผลิต PCR ที่เกิดขึ้น มีขนาดประมาณ 1,100 bps จากนั้นนำผลผลิต PCR มาตัดต่อเข้ากับพลาสมิด pBNFRB โดยนำชิ้นส่วนยีน *lipL41-6xHis tag* ต่อเข้าทางด้านหลังของ GST ซึ่งเป็น Protein tag ใน การติดตามโปรตีนที่สนใจและมีส่วนของ Thrombin recognition site เพื่อใช้แยกโปรตีนที่สนใจออกจาก GST ออกจากนี้ยังสามารถทำบริสุทธิ์โปรตีนที่สนใจโดยใช้ column ที่มี Glutathione ได้อีกด้วย (60) นอกจากนี้ในส่วนของพลาสมิด pBNFRB ยังมีส่วนของยีน *fliC* ซึ่งเป็น export signal ใน การซักนำ โปรตีนลูกผสมให้หลังออกอกเซลล์ผ่านทางระบบ Type III secretion system ของเชื้อ *S. Typhimurium*

เมื่อทำการเขียนยีน *lipL41-6xHis tag* และพลาสมิด pBNFRB จะได้พลาสมิดชนิดใหม่ที่มีชื่อว่า pMCRB41 โดยทำการคัดเลือกพลาสมิดที่สามารถแสดงออกเป็นโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis tag* ในเชื้อ *E. coli* สายพันธุ์ BL21 โดยนำพลาสมิด pMCRB41 เข้าสู่เชื้อ *E. coli* สายพันธุ์ BL21 ด้วยวิธี heat shock จากนั้นนำเชื้อไปเลี้ยงใน LB agar ที่มียา Ampicillin เพื่อคัดเลือกโคลนที่มีการแสดงออกเป็นโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis tag* โดยจากผลพบว่ามีโคลนนี้ขึ้นบน LB agar เพียง 2 โคลน ซึ่งอาจจะเกิดได้จากปัจจัยต่างๆ เช่น ขั้นตอนการเตรียม competent cell หรือ ขั้นตอนในกระบวนการ ligation ซึ่งปัจจัยทางด้าน competent cell ทางคณะผู้วิจัยคาดว่าเกิดจากเซลล์ที่ทำการเตรียมเซลล์ไว้เป็นเวลานาน ซึ่งอาจต้องทำการตรวจสอบประสิทธิภาพของ competent cell โดยใช้พลาสมิดที่ทราบความเข้มข้นนำเข้าสู่ competent cell ที่เตรียมไว้ จากนั้นนำไปเลี้ยงบนอาหารเลี้ยงเชื้อ หากประสิทธิภาพของการ transformation โดยคำนวณจากจำนวนโคลนที่พบและปริมาณความเข้มข้นของพลาสมิดที่นำเข้าสู่เซลล์ โดยประสิทธิภาพที่ดีจะอยู่ในช่วงประมาณ 10^6 - 10^8 cfu/ μ g (61) ในส่วนของกระบวนการ ligation คาดว่าเกิดจากขั้นตอนการปฏิบัติการหรือคุณภาพของเอนไซม์และบัฟเฟอร์ โดยอาจทำการตรวจสอบคุณภาพของเอนไซม์และบัฟเฟอร์โดยนำ DNA leader มาทำการ ligation จากน้ำยาชุดที่ต้องการตรวจสอบและนำไปตรวจสอบด้วย agarose gel electrophoresis โดยเทียบกับ DNA leader ปกติ โดยถ้าประสิทธิภาพของ ligation ยังมีประสิทธิภาพดี DNA leader เกิดเป็น smear ขึ้นมา (62)

โดยทางคณะผู้วิจัยได้ทำการคัดเลือกพลาสมิดจากโคลนีที่ขึ้นบน LB agar โดยอาศัยเทคนิค colony PCR ซึ่งใช้ primer ที่จำเพาะกับพลาสมิด pMCRB41 และชิ้นส่วนยืน *lipL41-6xHis tag* เป็น colony checking primer โดยส่วนของ Forward primer จะจำเพาะกับบางส่วนของชิ้นส่วน GST และ Reverse primer จำเพาะกับส่วนของ 6xHis tag โดยผลจากการเพิ่มจำนวนพบว่ามี 1 โคลนีที่มีผลผลิต PCR เกิดขึ้น จึงนำโคลนีดังกล่าวมาทดสอบการสร้างโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis tag* โดยการตุนการสร้างโปรตีนด้วย IPTG จากนั้นนำมาตรวจสอบด้วยเทคนิค SDS-PAGE และ Western blot โดยใช้แอนติบอดีต่อ GST และ Histidine โดยทางคณะผู้วิจัยได้ทำการตรวจสอบการสร้างโปรตีนของโคลนีที่มีพลาสมิด pMCRB41 และ pBNFRB เพื่อเปรียบเทียบขนาดของโปรตีนที่สร้างขึ้น โดยคาดว่าพลาสมิดที่สร้างขึ้นใหม่ต้องมีขนาดที่ใหญ่กว่า โปรตีนที่สร้างจากพลาสมิด pBNFRB และในส่วนของแอนติบอดีต่อ Histidine ต้องไม่พบ band เกิดขึ้น ซึ่งผลจากการทำ Western blot โดยใช้แอนติบอดีต่อ GST พบว่ามี band เกิดขึ้นทั้งในส่วนของพลาสมิด pMCRB41 และ pBNFRB โดยในส่วนของพลาสมิด pBNFRB พบว่า band มีน้ำหนักประมาณ 39 kDa โดยมีลักษณะเป็น multiple band ซึ่งอาจเกิดจากการย่อยสลายของโปรตีน *FliC-GST* จากเอนไซม์ Protease ของ เชื้อ (63) โดยจากการสังเกต ยังพบ band ในตำแหน่งที่ต่างกัน และจากการใช้แอนติบอดีต่อ GST คาดว่า เป็นการย่อยสลายในส่วนของโปรตีน *FliC* ซึ่งอาจมีสาเหตุมาจากการที่โปรตีน *FliC* เป็นโปรตีนภายนอกเซลล์ ที่ต้องหลังออกมานอกเซลล์ของเชื้อ *S. Typhimurium* ดังนั้นมีการสร้างโปรตีน *FliC* ขึ้นภายในเซลล์ของ เชื้อ *E. coli* จึงมีโอกาสที่จะถูกทำลายจากเอนไซม์ Protease ของ *E. coli* ได้ ซึ่งคล้ายกับงานวิจัยก่อนหน้านี้ ของ คุณณัฐพล ทิสยากร, ดรารัตน์ วันขวา และ นุสรา ศรีแสงอ่อน (51) ซึ่งทำการสร้างโปรตีน *FliC-GST* แล้วพบว่ามีการย่อยสลายของโปรตีน *FliC* เข่นกัน ในส่วนของพลาสมิด pMCRB41 พบว่ามี band เกิดขึ้น 3 band โดยมีขนาดประมาณ 70 kDa ,60 kDa และ 40 kDa โดยโปรตีนขนาดประมาณ 70 kDa คาดว่าจะ เป็นโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis* เนื่องจากการคำนวณโปรตีน *FliC-GST* มีขนาดประมาณ 39 kDa และ *LipL41* มีขนาดประมาณ 36 kDa ซึ่งเมื่อนำรวมกันมีขนาดประมาณ 75 kDa และโปรตีนที่ขนาดประมาณ 60 ซึ่งคาดว่าจะเป็นโปรตีน *GST-LipL41-6xHis* เนื่องจากโปรตีน *FliC* นั้นถูกย่อยสลายไป ซึ่งโปรตีน *FliC* นั้นมีขนาดประมาณ 13 kDa และ band ที่มีขนาดประมาณ 40 kDa ซึ่งคาดว่าจะเป็นโปรตีน *FliC-GST* เนื่องจากมี band มีขนาดตรงกับพลาสมิด pBNFRB โดยคาดว่าเกิดจากการย่อยสลายของโปรตีน *LipL41-6xHis* ซึ่งเป็นไปได้ว่าโปรตีน *LipL41* ที่สร้างขึ้นเป็นส่วนของเยื่อหุ้มเซลล์ชั้นนอกของเชื้อ *Leptospira spp.* เมื่อมีการสร้างภายในเซลล์ของเชื้อ *E. coli* อาจทำให้โปรตีนถูกทำลายได้จากเอนไซม์ protease และผลจากการ ตรวจสอบการสร้างโปรตีนด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้ antibody ต่อ histidine ผลปรากฏว่าไม่พบ band เกิดขึ้นที่พลาสมิด pBNFRB เนื่องจากโปรตีนที่สร้างไม่มีโปรตีน histidine ทำให้ไม่พบ band เกิดขึ้น ส่วนในพลาสมิด pMCRB41 พบว่ามี band เกิดขึ้น 2 band ซึ่งในส่วนของ band ที่มีขนาดประมาณ 70 kDa น่าจะเป็นโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis* และ band ที่มีขนาดประมาณ 60 kDa น่าจะเป็นโปรตีน *GST-LipL41-6xHis* เนื่องจากมีการย่อยสลายไปของโปรตีน *FliC* สำหรับการย่อยสลายโปรตีน แม้จะเป็นปัญหาที่ เกิดขึ้น แต่ในการทดลองครั้งนี้เป็นเพียงแค่การคัดเลือกโคลนีที่มีพลาสมิด pMCRB41 ที่สามารถสร้างโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis* และนำเข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* เพื่อให้หลังโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis* ออกมานอกเซลล์ในอาหารเลี้ยงเชื้อ

ในการสร้างโปรตีนให้หลังออกมานอกเซลล์นั้น มีข้อจำกัดในด้านของปริมาณอยู่ กล่าวคือ ในการสร้าง โปรตีนให้หลังออกมานอกเซลล์มักพบว่ามีปริมาณของโปรตีนน้อย (64) ดังนั้นทางคณะผู้วิจัยจึงต้องการหา เวลาที่กระตุนการสร้างโปรตีนได้ดีที่สุดเพื่อที่จะได้โปรตีนในปริมาณมากและหลีกเลี่ยงปัญหาการย่อยสลาย ของโปรตีน โดยทำการสกัดพลาสมิด pMCRB41 ที่สามารถแสดงออกเป็นโปรตีน *FliC-GST-LipL41-6xHis*

จากเชื้อ *E. coli* จากนั้นนำพลาสมิดเข้าสู่ *S. Typhimurium* ด้วยวิธี electroporation เนื่องจาก *S. Typhimurium* ไม่สามารถนำพลาสมิดเข้าสู่เชื้อด้วยวิธี heat shock เพราะมีขั้นของ lipopolysaccharides หนา จึงต้องนำพลาสมิดเข้าสู่เซลล์ด้วยวิธี electroporation จากนั้นทำการกระตุ้นการสร้างโปรตีนด้วย IPTG โดยใช้เวลาในการกระตุ้นที่แตกต่างกันคือ 1, 2, 3, 4 ชั่วโมง และข้ามคืน เพื่อหาว่าระยะเวลาใดที่เชื้อสามารถสร้างโปรตีนออกมาได้มากที่สุด โดยเมื่อครบเวลาในการกระตุ้นจะทำการเก็บเซลล์โดยทำการวัดค่า OD ให้เท่ากับ 0.3 หรือประมาณ 3.0×10^8 cell/ml เพื่อเปรียบเทียบปริมาณของเซลล์ที่นำมาทดสอบให้มีปริมาณที่เท่ากัน จากนั้นนำมาตรฐานทดสอบโปรตีนด้วย SDS-PAGE และ Western blot โดยใช้ antibody ต่อ histidine โดยผลพบว่ามี band เกิดขึ้นที่ขนาดประมาณ 70 kDa ในระยะเวลาที่ 1, 2, 3, 4 ชั่วโมง แต่การกระตุ้นด้วยระยะเวลาข้ามคืนไม่พบ band เกิดขึ้น ซึ่งจากการทดลองจะเห็นว่า band มีความเข้มลดลงเมื่อเวลาผ่านไป จากผลการทดลองนี้จึงสามารถบอกได้ว่า การสร้างโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis โดยใช้ *S. Typhimurium* พบว่าโปรตีนมีการถูกย่อยสลายภายในเซลล์เมื่อเวลาผ่านไป ทางคณะผู้วิจัยได้ทำการเลือกเวลาในการกระตุ้นด้วย IPTG เป็นระยะเวลา 3 ชั่วโมง เนื่องจากเป็นช่วงเวลาที่พบรการสร้างโปรตีน และจากการวิจัยก่อนหน้านี้ของ คุณณัฐพล ทิสยากร และคณะ (51) ได้ใช้เวลาที่ 3 ชั่วโมงในการกระตุ้นการหลังโปรตีน GST-FliC ในเชื้อ *S. Typhimurium* และพบว่าสามารถหลังโปรตีนออกเซลล์สู่อาหารเลี้ยงเชื้อได้ ทางคณะผู้วิจัยจึงเลือกการกระตุ้นด้วย IPTG เป็นระยะเวลา 3 ชั่วโมง

จากนั้นทำการทดสอบการหลังโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis ให้ออกมาในเซลล์ โดยนำ pMCRB41 เข้าสู่เชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar ด้วยวิธี electroporation โดยใช้เชื้อ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene นี้ถูกใช้เป็น negative control กล่าวคือ ในการทดลองครั้งนี้ถ้าศักยภาพหลังโปรตีนผ่านทาง flagellar ในเมื่อไม่มียืนที่ใช้สร้าง flagellar ดังนั้น จะต้องไม่พบโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อ จากนั้น ทำการกระตุ้นการสร้างโปรตีนเป็นเวลา 3 ชั่วโมง ทำการเก็บในส่วนของเซลล์โดยวัดค่า OD ให้ได้เท่ากับ 0.3 และปั่นเพื่อแยกส่วนของอาหารรีเลี้ยงเชื้อมาตรฐานทดสอบการหลังโปรตีน โดยทำการตกรตะกอนโปรตีนด้วย TCA จากนั้นนำมาตรฐานทดสอบในปริมาณ 1 ml และทำการตรวจสอบโปรตีนด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้ antibody ต่อ histidine และ DnaK โดย DnaK นั้นเป็นโปรตีนที่พบเฉพาะในเซลล์ (65) จึงใช้ในการบ่งชี้การแตกของเซลล์ได้ โดยจากผลการทดลองของการใช้ antibody ต่อ histidine พบว่า มี band เกิดขึ้นในส่วนในเซลล์ของห้อง *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar โดยมีขนาดของโปรตีนอยู่ที่ประมาณ 70 kDa ซึ่งคาดว่าจะเป็นโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis และจากการสังเกตจะพบว่าความเข้มของ band ใน *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 มีความเข้มมากกว่า เป็นไปได้ว่าการสร้างโปรตีนโดยใช้ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar มีการย่อยสลายโปรตีนได้เร็วกว่า เนื่องจากการสร้างโปรตีนครั้งนี้ทางคณะผู้วิจัยได้นำพลาสมิดเข้าสู่ตัวเชื้อเพื่อทำการแสดงออกเป็นโปรตีนออกมานะ ซึ่งไม่มีส่วนเกี่ยวของกับการสร้างโปรตีนของเชื้อ *S. Typhimurium* ดังนั้น คาดว่าเกี่ยวของกับการย่อยสลายของโปรตีนที่มากกว่า และจากการทดลองพบว่าไม่มี band เกิดขึ้นในส่วนของอาหารเลี้ยงเชื้อใน LEN ที่ 2 และ 4 ของห้อง 2 สายพันธุ์ ซึ่งอาจจะสรุปได้ว่าโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis ที่สร้างขึ้นภายในเซลล์ได้แต่ไม่สามารถหลังออกมานอกเซลล์ในอาหารเลี้ยงเชื้อได้ แต่ต่อไปนี้จะต้องมาลองการใช้ antibody ต่อ DnaK พบว่ามี band เกิดขึ้นทั้ง 4 LEN ซึ่งบ่งบอกว่าใน LEN ที่ 2 และ 4 ต้องมีการแตกของเซลล์เกิดขึ้น แต่จากการใช้ antibody ต่อ histidine ซึ่งคาดว่าควรจะพบ band เกิดขึ้น ดังนั้นการที่ไม่พบโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อ อาจเกิดจากสาเหตุของโปรตีน FliC-GST-LipL41-6xHis ที่ถูกสร้างขึ้นนั้น เกิดการเกาะกลุ่มกันทำให้เกิดเป็น inclusion bodies ซึ่งโปรตีนที่อยู่ในรูปของ inclusion bodies นี้ อาจเป็นเหตุผล

ที่ไม่สามารถหลังโปรตีนออกมานอกเซลล์ได้ โดยการเกิด inclusion bodies จะเกิดจากสาเหตุที่โปรตีนที่ถูกสร้างขึ้นไม่ใช่โปรตีนที่อยู่ในสิ่งมีชีวิตนั้น เมื่อสร้างโปรตีนออกมาอาจทำให้มีการ folding ของโปรตีนที่สมบูรณ์ ทำให้โปรตีนเกาะกันเกิดเป็น inclusion bodies ได้ (66) และอีกเหตุผลหนึ่งของการที่ไม่พบโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อ อาจเป็นไปได้ว่าโปรตีนที่ถูกสร้างขึ้นภายในเซลล์และถูกหลังออกมายังนอกเซลล์ อาจถูกย่อยลายโดยเอนไซม์ Protease จึงทำให้ไม่พบโปรตีนในอาหารเลี้ยงเชื้อ

ในปี 2011 งานวิจัยของ Piyanart Chalayon และคณะ (16) ได้ทำการศึกษาการวินิจฉัยโรค Leptospirosis ด้วยวิธี ELISA โดยใช้ outer membrane protein LipL21, LipL32, LipL41 และ Loa22 จากเชื้อ *Leptospira interrogans* serovar Copenhageni พบร่วมในการสร้างโปรตีน LipL41 มีการรวมตัวกันเป็น inclusion bodies จึงทำการละลาย inclusion bodies ด้วย 8 M urea buffer จากนั้นจึงนำไปทำให้โปรตีนมีความบริสุทธิ์ต่อไป ต่อมาในปี 2013 งานวิจัยของ Ming-Hsing Lin และคณะ (17) ได้ทำการผลิตโปรตีน LipL41 เพื่อใช้ในการทดสอบความสามารถของโปรตีน LipL41 โดยการตัดต่อยีน *lipL41* เข้าสู่พลาสมิด pRSET จากนั้นนำเข้าสู่ *E. coli* แล้วปั่นที่อุณหภูมิ 37 °C และกระตุนด้วย IPTG 1 mM เป็นเวลา 3 ชั่วโมง จากนั้นทำให้เซลล์แตกเพื่อแยกเอาโปรตีนออกมานา แต่พบว่าเกิด inclusion bodies ขนาดใหญ่อยู่ในส่วนที่เป็น soluble ของ *E. coli* จึงได้ทำการแก้ไขโดยการใส่ chaperone และ Lep เข้าไป และนำ plasmid เข้าสู่ *E. coli* แต่ลดอุณหภูมิการบ่มลงให้เหลือ 20 °C ลดความเข้มข้นของ IPTG ลงเหลือ 0.5 mM และเพิ่มระยะเวลาในการกระตุนเป็น 16 ชั่วโมง พบร่วมปริมาณโปรตีน LipL41 ที่เป็น soluble เพิ่มมากขึ้น

จากการวิจัยที่กล่าวมาทำให้ทางคณะผู้วิจัยคิดว่า โปรตีน LipL41 ที่สร้างขึ้นมาันน์ อาจเกิดเป็น inclusion bodies ขึ้นภายในเซลล์ของเชื้อ *S. Typhimurium* ส่งผลให้ไม่สามารถที่จะหลังโปรตีนออกมายังนอกเซลล์ผ่านทาง T3SS ในปี 2010 Dobo J และคณะ (50) ได้ทำการนำส่วนของ N-terminal ของโปรตีน FlIC ในขนาดที่ไม่เท่ากัน จากนั้นนำมาตัดต่อ กับโปรตีนชนิดต่างๆ เพื่อที่จะศึกษาความสามารถและประสิทธิภาพในส่วนของ N-terminal ของโปรตีน FlIC ในการซักนำให้มีการหลังออกโปรตีนชนิดอื่นๆ ออกนอกเซลล์ และในการทดลองพบว่าโปรตีน GST ที่นำไปต่อ กับส่วนของ FlIC นั้นเกิดเป็น inclusion bodies ส่งผลให้มีการหลังโปรตีนออกมานอกเซลล์น้อย จึงทำการพิสูจน์โปรตีน GST ว่าเป็น insoluble protein หรือ inclusion bodies หรือไม่ โดยทำการแยก inclusion bodies ออกจาก soluble protein ด้วยวิธี ultrasound treatment โดยใช้เครื่อง sonicator และทำการปั่นแยกในส่วนของ soluble protein และ insoluble protein ออกจากกัน หากโปรตีนเกิดเป็น inclusion bodies เมื่อทำการปั่นจะทำให้ตกไปอยู่ในส่วนของตะกรอน แต่หากโปรตีนอยู่ในรูปของ soluble protein จะแยกอยู่ในส่วนของ supernatant จากการทดลองนี้สามารถพิสูจน์ได้ว่าเกิด inclusion bodies ของโปรตีน GST

ดังที่กล่าวมา ทางคณะผู้วิจัยจึงต้องการพิสูจน์ว่า โปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis เกิด inclusion bodies ขึ้นในเซลล์ของ *S. Typhimurium* หรือไม่ จึงนำ pMCRB41 เข้าสู่ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar จากนั้นทำการกระตุนการสร้างโปรตีนด้วย IPTG ทำการเก็บเซลล์และทำให้เซลล์แตกด้วยเครื่อง sonicator จากนั้นทำการปั่นแยกส่วนของ insoluble protein และ soluble protein ออกจากกัน และทำการตรวจสอบโปรตีนด้วยเทคนิค Western blot โดยใช้แอนติบอดีต่อ histidine โดยทำการตรวจสอบใน 3 ตัวอย่างคือ whole cell, ตะกรอน หรือ insoluble และในส่วนของ soluble ซึ่งจากผลการทดลองพบว่า ในส่วนของ whole cell มี band เกิดขึ้น 2 band ทั้งใน *S. Typhimurium* สายพันธุ์ SL 1344 และ *S. Typhimurium* สายพันธุ์ที่ถูก knockout gene ที่สร้าง flagellar ซึ่งมีน้ำหนักประมาณ 70 kDa และ 60 kDa ซึ่งน้ำหนัก 70 kDa คาดว่า น่าจะเป็นโปรตีน FlIC-GST-LipL41-6xHis tag ผลในส่วนของ insoluble พบร่วม band เกิดขึ้นหลาย band

ทั้ง 2 สายพันธุ์ ซึ่งคาดว่าจะเป็นโปรตีนที่เกาะกลุ่มกันเกิดเป็น inclusion bodies จึงทำให้เห็นเป็น band ขนาดใหญ่และมีความเข้มของแบนมาก ซึ่งคาดว่าเกิดจากโปรตีน LipL41 เป็นโปรตีนที่อยู่ในส่วนของเยื่อหุ้ม เชลล์ขั้นนอกของเชื้อ *Leptospira* spp. เมื่อนำมาสร้างภัยในเซลล์จึงเกิดเป็น insoluble protein และเกาะกลุ่มกันเกิดเป็น inclusion bodies และผลในส่วนของ soluble พบร้าไม่มี band เกิดขึ้นในทั้ง 2 สายพันธุ์ จึงสามารถสรุปได้ว่าโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ที่ถูกสร้างขึ้นนี้สามารถที่จะสร้างขึ้นมาภายในเซลล์ได้แต่ไม่ถูกหลังออกมายานอกเซลล์ในอาหารเลี้ยงเชื้อ เนื่องจากโปรตีนเกิดเป็น inclusion bodies ขึ้นภายในเซลล์

ดังนั้นจากการวิจัยนี้ไม่สามารถที่จะสร้างโปรตีน FLIC-GST-LipL41-6xHis tag ให้หลังออกมานอกเซลล์ในอาหารเลี้ยงเชื้อ โดยอาศัยโปรตีน FLIC ในการขักนำโปรตีนออกสู่ภายนอกเซลล์ผ่านทาง T3SS ของเชื้อ *S. Typhimurium* ได้ เนื่องจากโปรตีนที่สร้างขึ้นเกิดเป็น inclusion bodies ภัยในเซลล์ ดังนั้นอาจต้องทำการแก้ปัญหาในส่วนของการเกิด inclusion bodies โดยอาจทำการปรับเปลี่ยนในการกระบวนการสร้างโปรตีน เช่น การลดอุณหภูมิในการบ่ม และปรับลดความเข้มข้นของ IPTG แล้วเพิ่มระยะเวลาในการบ่ม (17) เพื่อที่จะได้โปรตีนในส่วนของ soluble โปรตีนเพิ่มมากขึ้น ซึ่งการแก้ไขปัญหาอาจทำให้ได้ปริมาณของโปรตีนเพิ่มมากขึ้น ซึ่งจะสามารถนำโปรตีนที่สร้างไปใช้ประโยชน์ต่อไปหรือนำวิธีการดังกล่าวใช้ในการสร้างโปรตีนชนิดอื่นที่มีปัญหาเช่นเดียวกันได้

ข้อเสนอแนะสำหรับการวิจัยครั้งต่อไป

งานวิจัยนี้สามารถสร้างพลาสมิดลูกผสม pMCRB41 ที่สามารถสร้างโปรตีnlukพสม FLIC-GST-LipL41 สำเร็จ แต่พบอุปสรรคคือ ตรวจพบมีการหลังออกมานอกเซลล์ในปริมาณที่น้อยมาก ทำให้ผู้วิจัยมองว่าไม่เหมาะสมที่จะนำมาใช้ในเชิงพาณิชย์ ดังนั้นผู้วิจัยจึงเปลี่ยนรูปแบบในการสร้างพลาสมิดลูกผสมที่ไม่มีเยินที่กำหนดการสร้างโปรตีน GST ทำการกระตุนการสร้างโปรตีน FLIC-LipL41 แล้วทำการตรวจสอบความสามารถในการหลังโปรตีนดังกล่าวในน้ำเลี้ยงเซลล์เบคทีเรีย

บรรณานุกรม

1. Choi JH, Keum KC, Lee SY. Production of recombinant proteins by high cell density culture of *Escherichia coli*. *Chemical Engineering Science*. 2006;61(3):876-85.
2. Huang CJ, Lin H, Yang X. Industrial production of recombinant therapeutics in *Escherichia coli* and its recent advancements. *J Ind Microbiol Biotechnol*. 2012 Mar;39(3):383-99.
3. Mergulhao FJ, Summers DK, Monteiro GA. Recombinant protein secretion in *Escherichia coli*. *Biotechnol Adv*. 2005 May;23(3):177-202.
4. Minamino T, Imada K, Namba K. Mechanisms of type III protein export for bacterial flagellar assembly. *Mol Biosyst*. 2008 Nov;4(11):1105-15.
5. Minamino T, Namba K. Distinct roles of the Flil ATPase and proton motive force in bacterial flagellar protein export. *Nature*. 2008 Jan 24;451(7177):485-8.
6. Vegh BM, Gal P, Dobo J, Zavodszky P, Vonderviszt F. Localization of the flagellum-specific secretion signal in *Salmonella* flagellin. *Biochem Biophys Res Commun*. 2006 Jun 23;345(1):93-8.
7. Haake DA, Walker EM, Blanco DR, Bolin CA, Miller MN, Lovett MA. Changes in the surface of *Leptospira interrogans* serovar grippotyphosa during in vitro cultivation. *Infect Immun*. 1991 Mar;59(3):1131-40.
8. Lin MH, Chang YC, Hsiao CD, Huang SH, Wang MS, Ko YC, et al. LipL41, a hemin binding protein from *Leptospira santarosai* serovar Shermani. *PLoS One*. 2013;8(12):e83246.
9. Choy HA, Kelley MM, Chen TL, Moller AK, Matsunaga J, Haake DA. Physiological osmotic induction of *Leptospira interrogans* adhesion: LigA and LigB bind extracellular matrix proteins and fibrinogen. *Infect Immun*. 2007 May;75(5):2441-50.
10. Plank R, Dean D. Overview of the epidemiology, microbiology, and pathogenesis of *Leptospira* spp. in humans. *Microbes Infect*. 2000 Aug;2(10):1265-76.
11. Adler B, de la Peña Moctezuma A. *Leptospira* and leptospirosis. *Veterinary Microbiology*. 2010;140(3-4):287-96.
12. Haake DA, Walker EM, Blanco DR, Bolin CA, Miller MN, Lovett MA. Changes in the surface of *Leptospira interrogans* serovar grippotyphosa during in vitro cultivation. *Infect Immun*. 1991 Mar;59(3):1131-40.
13. Natarajaseenivasan K, Vijayachari P, Sharma S, Sugunan AP, Selvin J, Sehgal SC. Serodiagnosis of severe leptospirosis: evaluation of ELISA based on the recombinant OmpL1 or LipL41 antigens of *Leptospira interrogans* serovar autumnalis. *Ann Trop Med Parasitol*. 2008 Dec;102(8):699-708.
14. King AM, Bartpho T, Sermswan RW, Bulach DM, Eshghi A, Picardeau M, et al. Leptospiral outer membrane protein LipL41 is not essential for acute leptospirosis but requires a small chaperone protein, lep, for stable expression. *Infect Immun*. 2013 Aug;81(8):2768-76.

15. Shang ES, Summers TA, Haake DA. Molecular cloning and sequence analysis of the gene encoding LipL41, a surface-exposed lipoprotein of pathogenic *Leptospira* species. *Infect Immun.* 1996 Jun;64(6):2322-30.
16. Chalayon P, Chanket P, Boonchawalit T, Chattanadee S, Srimanote P, Kalambaheti T. Leptospirosis serodiagnosis by ELISA based on recombinant outer membrane protein. *Trans R Soc Trop Med Hyg.* 2011 May;105(5):289-97.
17. Lin MH, Chang YC, Hsiao CD, Huang SH, Wang MS, Ko YC, et al. LipL41, a hemin binding protein from *Leptospira santarosai* serovar Shermani. *PLoS One.* 2013;8(12):e83246.
18. Feng CY, Li QT, Zhang XY, Dong K, Hu BY, Guo XK. Immune strategies using single-component LipL32 and multi-component recombinant LipL32-41-OmpL1 vaccines against leptospira. *Braz J Med Biol Res.* 2009 Sep;42(9):796-803.
19. Vonderviszt F, Sajó R, Dobó J, Závodszky P. The use of a flagellar export signal for the secretion of recombinant proteins in *Salmonella*. 2012.
20. Ni Y, Chen R. Extracellular recombinant protein production from *Escherichia coli*. *Biotechnology Letters.* 2009;31(11):1661-70.
21. Dobo J, Varga J, Sajo R, Vegh BM, Gal P, Zavodszky P, et al. Application of a Short, Disordered N-Terminal Flagellin Segment, a Fully Functional Flagellar Type III Export Signal, to Expression of Secreted Proteins. *Applied and Environmental Microbiology.* 2009;76(3):891-9.
22. Acha PN, Szyfres B. Zoonoses and communicable diseases common to man and animals / Pedro N. Acha, Boris Szyfres; Washington, D.C., : Pan American Health Organization, Pan American Sanitary Bureau, Regional Office of the World Health Organization, 2003. 3rd ed.; 2003.
23. Ibarra JA, Steele-Mortimer O. *Salmonella* – the ultimate insider. *Salmonella* virulence factors that modulate intracellular survival. *Cellular Microbiology.* [Article]. 2009;11(11):1579-86.
24. Scientifica. *Salmonella*. [10 June 2014]. Available from: <http://visualsunlimited.photoshelter.com/gallery-image/Salmonella/G0000vLM7YclsQG0/I0000kz1dpQ0ZLZ4>.
25. Chevance FF, Hughes KT. Coordinating assembly of a bacterial macromolecular machine. *Nat Rev Microbiol.* 2008 Jun;6(6):455-65.
26. Macnab RM. Type III flagellar protein export and flagellar assembly. *Biochim Biophys Acta.* 2004 Nov 11;1694(1-3):207-17.
27. Duan Q, Zhou M, Zhu L, Zhu G. Flagella and bacterial pathogenicity. *J Basic Microbiol.* 2013 Jan;53(1):1-8.
28. Erhardt M, Namba K, Hughes KT. Bacterial nanomachines: the flagellum and type III injectisome. *Cold Spring Harb Perspect Biol.* 2010 Nov;2(11):a000299.
29. Chevance FF, Hughes KT. Coordinating assembly of a bacterial macromolecular machine. *Nat Rev Microbiol.* 2008 Jun;6(6):455-65.

30. Berg HC, Anderson RA. Bacteria swim by rotating their flagellar filaments. *Nature*. 1973 Oct 19;245(5425):380-2.
31. Macnab RM. How bacteria assemble flagella. *Annu Rev Microbiol*. 2003;57:77-100.
32. Kojima S, Furukawa Y, Matsunami H, Minamino T, Namba K. Characterization of the periplasmic domain of MotB and implications for its role in the stator assembly of the bacterial flagellar motor. *J Bacteriol*. 2008 May;190(9):3314-22.
33. Aizawa SI. Flagellar assembly in *Salmonella Typhimurium*. *Mol Microbiol*. 1996 Jan;19(1):1-5.
34. Paul K, Erhardt M, Hirano T, Blair DF, Hughes KT. Energy source of flagellar type III secretion. *Nature*. 2008 Jan 24;451(7177):489-92.
35. Minamino T, MacNab RM. FliH, a soluble component of the type III flagellar export apparatus of *Salmonella*, forms a complex with Flil and inhibits its ATPase activity. *Mol Microbiol*. 2000 Sep;37(6):1494-503.
36. Hirano T, Yamaguchi S, Oosawa K, Aizawa S. Roles of FliK and FlhB in determination of flagellar hook length in *Salmonella Typhimurium*. *J Bacteriol*. 1994 Sep;176(17):5439-49.
37. Homma M, DeRosier DJ, Macnab RM. Flagellar hook and hook-associated proteins of *Salmonella Typhimurium* and their relationship to other axial components of the flagellum. *J Mol Biol*. 1990 Jun 20;213(4):819-32.
38. Minamino T, Namba K. Distinct roles of the Flil ATPase and proton motive force in bacterial flagellar protein export. *Nature*. 2008 Jan 24;451(7177):485-8.
39. Komoriya K, Shibano N, Higano T, Azuma N, Yamaguchi S, Aizawa S-I. Flagellar proteins and type III-exported virulence factors are the predominant proteins secreted into the culture media of *Salmonella Typhimurium*. *Molecular Microbiology*. 1999;34 (4) :767-79.
40. Yonekura K, Maki-Yonekura S, Namba K. Complete atomic model of the bacterial flagellar filament by electron cryomicroscopy. *Nature*. 2003 Aug 7;424 (6949) :643-50.
-
41. Minamino T, Macnab RM. Components of the *Salmonella* flagellar export apparatus and classification of export substrates. *J Bacteriol*. 1999 Mar;181(5):1388-94.
42. Claret L, Calder SR, Higgins M, Hughes C. Oligomerization and activation of the Flil ATPase central to bacterial flagellum assembly. *Mol Microbiol*. 2003 Jun;48(5):1349-55.
43. Fan F, Macnab RM. Enzymatic characterization of Flil. An ATPase involved in flagellar assembly in *Salmonella Typhimurium*. *J Biol Chem*. 1996 Dec 13;271 (50): 31981-8.
44. Ferris HU, Minamino T. Flipping the switch: bringing order to flagellar assembly. *Trends Microbiol*. 2006 Dec;14(12):519-26.
45. Minamino T, Namba K. Distinct roles of the Flil ATPase and proton motive force in bacterial flagellar protein export. *Nature*. 2008 Jan 24;451(7177):485-8.

46. Terashima H, Kojima S, Homma M. Flagellar motility in bacteria structure and function of flagellar motor. *Int Rev Cell Mol Biol.* 2008;270:39-85.
47. Ramos HC, Rumbo M, Sirard JC. Bacterial flagellins: mediators of pathogenicity and host immune responses in mucosa. *Trends Microbiol.* 2004 Nov;12(11):509-17.
48. Lin MH, Chang YC, Hsiao CD, Huang SH, Wang MS, Ko YC, et al. LipL41, a hemin binding protein from *Leptospira santarosai* serovar Shermani. *PLoS One.* 2013;8(12):e83246.
49. Vegh BM, Gal P, Dobo J, Zavodszky P, Vonderviszt F. Localization of the flagellum-specific secretion signal in *Salmonella* flagellin. *Biochem Biophys Res Commun.* 2006 Jun 23;345(1):93-8.
50. Dobo J, Varga J, Sajo R, Vegh BM, Gal P, Zavodszky P, et al. Application of a short, disordered N-terminal flagellin segment, a fully functional flagellar type III export signal, to expression of secreted proteins. *Appl Environ Microbiol.* 2010 Feb;76(3):891-9.
51. ณัฐพล ทิสยากร, ดารารัตน์ วันขวา, นุสรา ศรีแสงอ่อน. การพัฒนาวิธีการสร้างโปรตีนลูกผสมให้หล่อออกมานอกเซลล์ผ่านทางระบบ Flagellar type III secretion system ของเชื้อ *Salmonella Typhimurium*. 2012.
52. Biolabs NE. PCR Protocol for Taq DNA Polymerase with Standard Taq Buffer (M0273). [16 June 2014]; Available from: <https://www.neb.com/protocols/1/01/01/taq-dna-polymerase-with-standard-taq-buffer-m0273?device=pdf>.
53. Protocol for agarose gel electrophoresis. [16 June 2014]; Available from: <http://www.biologie.uni-hamburg.de/b-online/library/bryophytes/agarose.pdf>.
54. Biolabs NE. Ligation Protocol with T4 DNA Ligase (M0202). [16 June 2014]. Available from: <https://www.neb.com/protocols/1/01/01/dna-ligation-with-t4-dna-ligase-m0202?device=pdf>.
55. E. coli Calcium Chloride competent cell protocol. [16 June 2014]. Available from: http://www.med.nyu.edu/medicine/labs/blaserlab/Protocols/E-coli_competent_cells_protocol_&_transformation.pdf.
56. ThermoScientific. General Protocol for SDS-PAGE. [16 June 2014]. Available from: <http://www.thermoscientificbio.com/uploadedFiles/Resources/general-protocol-for-sds-page.pdf>.
57. Bio-Rad. General Protocol for Western Blotting. [16 June 2014]. Available from: http://www.bio-rad.com/webroot/web/pdf/lsr/literature/Bulletin_6376.pdf.
58. Real-Genomics. HiYield™ Plasmid Mini Kit/Protocol Book. [16 June 2014]. Available from: http://bioamerica-inc.com/files/pdf/rbc_protocol_ypd100_ypd300.pdf.
59. Biolabs NE. Electroporation Protocol (C2986). [16 June 2014]. Available from: <https://www.neb.com/protocols/1/01/01/electroporation-protocol-c2986>.
60. Biotech P. GST gene fusion system. In: 3, edition. 1997.
61. Origene. Transformation Protocol. [29 June 2014]. Available from: <http://www.origene.com/assets/Documents/Other/CompetentCells/TransformationProtocolAlphagold.pdf>

62. New England Biolab Inc. Ligation Efficiencies Protocol. [29 June 2014]. Available from: <https://www.neb.com/tools-and-resources/usage-guidelines/tips-for-maximizing-ligation-efficiencies?device=pdf>

63. Murby M, Uhlen M, Stahl S. Upstream strategies to minimize proteolytic degradation upon recombinant production in *Escherichia coli*. *Protein Expr Purif.* 1996 Mar;7(2):129-36.

64. Ni Y, Chen R. Extracellular recombinant protein production from *Escherichia coli*. *Biotechnol Lett.* 2009 Nov;31(11):1661-70.

65. Kohler S, Teyssier J, Cloeckaert A, Rouot B, Liautard JP. Participation of the molecular chaperone DnaK in intracellular growth of *Brucella suis* within U937-derived phagocytes. *Mol Microbiol.* 1996 May;20(4):701-12.

66. Strandberg L, Enfors SO. Factors influencing inclusion body formation in the production of a fused protein in *Escherichia coli*. *Appl Environ Microbiol.* 1991 Jun;57(6):1669-74.

